

Facultade de Bioloxía

Máster Universitario en Metodoloxía e Aplicacións en Bioloxía Molecular

Materias			
Curso 1			
Código	Nome	Cuadrimestre	Cr.totais
V02M105V01101	Proteómica	1c	4
V02M105V01102	Técnicas de Expresión e Purificación de Proteínas Recombinantes	1c	3
V02M105V01103	Introdución á Simulación de Procesos Xenéticos Mediante Ordenador	1c	4
V02M105V01104	Hibridación de Ácidos Nucleicos	1c	4
V02M105V01105	Metodoloxía Xenética con PCR e Secuenciación: Relacións Evolutivas e de Parentesco	1c	4
V02M105V01106	Diagnóstico Molecular en Patoloxías Hereditarias Humanas	1c	4
V02M105V01107	Aplicación dos Mecanismos de Resistencia á Bioloxía Funcional	1c	3
V02M105V01108	Métodos de Análise de Marcadores Xenéticos. Aplicación en Estudos de Evolución Humana	1c	3
V02M105V01109	Inmunonanotecnoloxía	1c	3
V02M105V01110	Principios Funcionais e Control da Actividade Enzimática	1c	3
V02M105V01111	Técnicas Radioisotópicas	1c	3
V02M105V01112	Obtención e Aplicación de Anticorpos Monoclonais	1c	4
V02M105V01113	Avances Metodolóxicos (Modelización) en Inmunoloxía Básica	1c	3
V02M105V01114	Análise Filoxenética	1c	4
V02M105V01115	Introdución á PCR Cuantitativa en Tempo Real	1c	3

V02M105V01116	Metodoloxía para a análise da Evolución Molecular Usando o Paquete de Software HYPHY e a súa Linguaxe de Programación	1c	4
V02M105V01117	Técnicas Xenéticas Aplicadas á Xestión de Stocks Pesqueiros	1c	4
V02M105V01118	Metodoloxía para o Estudo dos Glicoconjugados e as súas Alteracións	2c	4
V02M105V01119	A Pegada Molecular da Selección Natural	1c	3
V02M105V01120	Análise Computacional de Xenomas	1c	3
V02M105V01121	Manexo de Poboacións en Programas de Conservación Mediante o Uso de Marcadores Moleculares	1c	4
V02M105V01122	Proteómica Poboacional e Evolutiva	1c	3
V02M105V01201	Introdución ás Liñas de Investigación	2c	3
V02M105V01202	O Método Científico en Bioloxía	2c	3
V02M105V01203	Estatística Aplicada ao Deseño e Análise de Experimentos	2c	3
V02M105V01204	Traballo Fin de Máster	2c	21

DATOS IDENTIFICATIVOS				
Proteómica				
Materia	Proteómica			
Código	V02M105V01101			
Titulación	Máster Universitario en Metodoloxía e Aplicacións en Bioloxía Molecular			
Descritores	Creditos ECTS	Sinale	Curso	Cuadrimestre
	4	OP	1	1c
Lingua de impartición	Castelán			
Departamento	Bioquímica, xenética e inmunoloxía Dpto. Externo			
Coordinador/a	Vázquez Iglesias, Lorena			
Profesorado	Ayude Vázquez, Daniel Pérez Diz, Ángel Eduardo Vázquez Iglesias, Lorena			
Correo-e	lorena.vazquez@uvigo.es			
Web				
Descrición xeral	El alumno aprenderá los conceptos fundamentales relacionados con la proteómica y aprenderá a realizar técnicas básicas de extracción, separación, purificación e identificación de proteínas			

Competencias de titulación

Código	
A5	Diseñar estudios basados en la purificación e identificación de proteínas
A17	Aprender a diseñar, analizar y exponer un trabajo de investigación

Competencias de materia

Resultados previstos na materia	Tipoloxía	Resultados de Formación e Aprendizaxe
Conocimiento de los términos y conceptos fundamentales de la proteómica	saber	A5
Comprensión de las estrategias básicas de separación, purificación e identificación de proteínas.	saber saber facer	A5 A17
Capacidad para utilizar técnicas de extracción, separación y purificación de proteínas.	saber saber facer	A5 A17
Capacidad para elaborar protocolos experimentales en relación con la extracción, separación y purificación de proteínas.	saber facer	A5 A17
Aprendizaje de herramientas bioinformáticas básicas relacionadas con la proteómica.	saber facer	A5

Contidos

Tema	
Técnicas de separación y purificación de proteínas.	Homogeneización, centrifugación y cromatografías. Electroforesis mono y bidimensional, Western-blot, isoelectroenfoque. Técnicas de detección. Métodos de cuantificación.
Introducción a la proteómica.	Historia de la Proteomica. Técnicas básicas utilizadas en Proteómica.
Identificación de proteínas	Espectrometría de masas aplicada a la proteómica. Bases de datos relacionadas con la proteómica.
Contenidos prácticos.	-Purificación de una proteína mediante cromatografía. -Electroforesis: SDS-PAGE y 2D-PAGE. -Detección de proteínas en geles . -Análisis de imágenes. -Utilización de programas informáticos.

Planificación

	Horas na aula	Horas fóra da aula	Horas totais
Prácticas de laboratorio	20	40	60
Tutoría en grupo	3	0	3
Sesión maxistral	10	25	35
Informes/memorias de prácticas	1	0	1
Probas de tipo test	1	0	1

*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientador, considerando a heteroxeneidade do alumnado.

Metodoloxía docente

	Descrición
Prácticas de laboratorio	El profesor explica el protocolo experimental, orienta y realiza el seguimiento. El estudiante realiza técnicas de separación y purificación de proteínas. Realiza cálculos y representaciones gráficas, interpreta los resultados y realiza un informe final.
Titoría en grupo	El profesor orienta y resuelve dudas. El estudiante plantea dudas y cuestiones.
Sesión maxistral	El profesor explica y desarrolla los fundamentos teóricos. El estudiante asimila y anota conceptos. Plantea dudas y cuestiones.

Atención personalizada

Metodoloxías Descrición

Titoría en grupo	Informes/memorias de prácticas : El estudiante expone de manera individual el informe de resultados
------------------	---

Avaliación

	Descrición	Cualificación
Prácticas de laboratorio	Aprendizaje en las prácticas Exposición del informe de resultados.	50
Sesión maxistral	Aprendizaje de conceptos, pruebas de razonamiento.	30
Informes/memorias de prácticas	Redacción y presentación de un informe	10
Probas de tipo test	Realización de test referentes a lo expuesto en la materia	10

Outros comentarios sobre a Avaliación

Sistema de calificaciones: se expresará mediante calificación final numérica de 0 a 10 según la legislación vigente (Real Decreto 1125/2003 de 5 de septiembre; BOE 18 de septiembre).

Bibliografía. Fontes de información

AUSUBEL, F. M. BRENT, R., KIGNSTON, R.E., MOORE, D.D., SEIDMAN, J.G. SMITH, J.A. STRUHL, K, **Short protocols in molecular biology**, ..
 KELLNER, R, LOTTSPICH, F., MEYER H.E., **Microcharacterization of proteins**,
 WALKER, J. M., **The protein protocols handbook**,
 WESTERMEIER, R., and NAVEN, T., **Proteomics in Practice. A Laboratory Manual of Proteome Analysis.**,
www.expasy.ch,
<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed>,

Recomendacións

Materias que continúan o temario

Proteómica Poboacional e Evolutiva/V02M105V01122

Materias que se recomenda cursar simultaneamente

Estatística Aplicada ao Deseño e Análise de Experimentos/V02M105V01203
 Metodoloxía para o Estudo dos Glicoconjugados e as súas Alteracións/V02M105V01118
 Principios Funcionais e Control da Actividade Enzimática/V02M105V01110
 Técnicas de Expresión e Purificación de Proteínas Recombinantes/V02M105V01102

DATOS IDENTIFICATIVOS				
Técnicas de Expresión e Purificación de Proteínas Recombinantes				
Materia	Técnicas de Expresión e Purificación de Proteínas Recombinantes			
Código	V02M105V01102			
Titulación	Máster Universitario en Metodoloxía e Aplicacións en Bioloxía Molecular			
Descritores	Creditos ECTS	Sinale	Curso	Cuadrimestre
	3	OP	1	1c
Lingua de impartición	Castelán Galego			
Departamento	Bioquímica, xenética e inmunoloxía			
Coordinador/a	de Carlos Villamarin, Alejandro Leonides			
Profesorado	de Carlos Villamarin, Alejandro Leonides			
Correo-e	adcarlos@uvigo.es			
Web	http://http://cvida.uvigo.es/			
Descrición xeral	En este curso se discuten los procedimientos y las estrategias de expresión de secuencias de ADN clonadas en la bacteria Escherichia coli. En estos procesos, el ADN clonado o transgén se convierte en el sujeto del experimento expresando la información que contiene y conduciendo a la aparición de nuevos productos proteicos, actividades enzimáticas o fenotipos. Las aplicaciones de esta potente rama de la biología molecular son de un enorme valor y, sin duda, responsables en gran medida de la enorme expectación levantada por esta metodología de posibilidades casi ilimitadas en campos como la biomedicina y la biotecnología.			

Competencias de titulación

Código	
A5	Diseñar estudios basados en la purificación e identificación de proteínas

Competencias de materia

Resultados previstos na materia	Tipoloxía	Resultados de Formación e Aprendizaxe
Conocimiento de los distintos sistemas de expresión de proteínas recombinantes en procariotas y eucariotas.	saber	A5
Conocimiento de los elementos fundamentales de los vectores de expresión.	saber	A5
Capacidad para llevar a cabo técnicas de expresión y purificación de una proteína recombinante.	saber facer	A5

Contidos

Tema	
1. Sistemas de expresión de proteínas recombinantes.	Elementos de la expresión génica en bacterias. Expresión in vivo de secuencias clonadas.
2. Técnicas de purificación de proteínas recombinantes.	Producción de proteínas en cultivos de E. coli.
3. Estrategia general de expresión y purificación de proteínas recombinantes.	Caso práctico de expresión y purificación de una enzima recombinante.

Planificación

	Horas na aula	Horas fóra da aula	Horas totais
Prácticas de laboratorio	20	40	60
Sesión maxistral	3	9	12
Informes/memorias de prácticas	1	2	3

*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientador, considerando a heteroxeneidade do alumnado.

Metodoloxía docente

	Descrición
Prácticas de laboratorio	El alumno llevará a cabo un proyecto de investigación consistente en la expresión y purificación de una proteína recombinante.

Sesión maxistral	Se explicarán las distintas estrategias y técnicas de expresión y purificación de proteínas recombinantes en E. coli.
------------------	---

Atención personalizada

Metodologías	Descripción
Prácticas de laboratorio	Expresión y purificación de una proteína recombinante en la bacteria Escherichia coli incluyendo los análisis correspondientes: SDS-PAGE, "Western blot" con anticuerpos específicos, ensayo de actividad enzimática frente a un sustrato sintético, determinación de la concentración de proteínas, identificación de la proteína por espectrometría de masas MALDI-TOF.

Avaliación

	Descripción	Cualificación
Prácticas de laboratorio	Presentación de un informe de resultados.	Numérica de 0 a 10.

Outros comentarios sobre a Avaliación

Bibliografía. Fontes de información

J. Perera, A. Tormo, J.L. García, **Ingeniería Genética, vols I y II**, 1ª,
M. Izquierdo Rojo, **Ingeniería genética y transferencia génica**, 1ª,
T.A. Brown, **Gene cloning and DNA analysis, An Introduction**, 5ª,

Recomendacións

DATOS IDENTIFICATIVOS				
Introducción á Simulación de Procesos Xenéticos Mediante Ordenador				
Materia	Introducción á Simulación de Procesos Xenéticos Mediante Ordenador			
Código	V02M105V01103			
Titulación	Máster Universitario en Metodoloxía e Aplicacións en Bioloxía Molecular			
Descritores	Creditos ECTS	Sinale	Curso	Cuadrimestre
	4	OP	1	1c
Lingua de impartición	Castelán			
Departamento	Bioquímica, xenética e inmunoloxía			
Coordinador/a	Caballero Rúa, Armando			
Profesorado	Caballero Rúa, Armando Pérez Figueroa, Andrés			
Correo-e	armando@uvigo.es			
Web	http://http://cvida.uvigo.es/			
Descrición xeral	Este curso proporciona los conocimientos necesarios para poder llevar a cabo simulaciones por ordenador en lenguaje informático C. Proporciona, además, un conocimiento de los algoritmos utilizados para simular procesos genéticos.			

Competencias de titulación

Código	
A10	Efectuar simulaciones por ordenador de procesos genéticos en lenguaje informático C

Competencias de materia

Resultados previstos na materia	Tipoloxía	Resultados de Formación e Aprendizaxe
1. Conocimientos necesarios para poder llevar a cabo simulaciones por ordenador en lenguaje informático C.	saber	A10
2. Conocimiento de los algoritmos utilizados para simular procesos genéticos.	saber facer	

Contidos

Tema	
1- Introducción al entorno de simulación.	Comandos básicos en el sistema Unix, programas de transferencia entre el terminal y las estaciones de trabajo (putty, WinSCP3); uso del programa Codewarrior.
2. Conceptos y comandos básicos del lenguaje C.	Definición de variables y funciones, comandos de simulación, compilación, etc.
3. Principios básicos para la simulación de procesos genéticos.	Simulación de genes multialélicos, deriva genética, mutación, recombinación y selección.

Planificación

	Horas na aula	Horas fóra da aula	Horas totais
Prácticas autónomas a través de TIC	25	45	70
Sesión maxistral	10	20	30

*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientador, considerando a heteroxeneidade do alumnado.

Metodoloxía docente

	Descrición
Prácticas autónomas a través de TIC	En la primera parte del curso, los alumnos elaborarán un código sencillo que permita realizar cálculos estadísticos simples con números aleatorios obtenidos del teclado o de un fichero. En la segunda parte del curso los alumnos elaborarán un programa de simulación de un proceso genético.

Sesión maxistral	El profesor hará una introducción al entorno de simulación, explicará los conceptos y comandos básicos del lenguaje C y los principios básicos para la simulación de procesos genéticos.
------------------	--

Atención personalizada

Metodologías	Descripción
Prácticas autónomas a través de TIC	El profesor supervisará, de forma individualiza, los programas informáticos realizados por los alumnos durante el curso.

Avaliación

	Descripción	Cualificación
Prácticas autónomas a través de TIC	Al final del curso, los alumnos deberán de haber sido capaces de elaborar con éxito un programa informático funcional que simule procesos genéticos. También se realizará una prueba escrita para valorar los conocimientos adquiridos por los alumnos.	0-10

Outros comentarios sobre a Avaliación

Bibliografía. Fontes de información

Moldes, F.J., **Lenguaje C. Edición revisada y actualizada 2006**, 2006. Anaya Multimedia,
 Ceballos, F.J., **C/C++ Curso de Programación**, 2007, 3ª edición, Ra-Ma,
 Cairó, O., **Fundamentos de programación: Piensa en C.**, 2006, Pearson,

Recomendacións

DATOS IDENTIFICATIVOS				
Hibridación de Ácidos Nucleicos				
Materia	Hibridación de Ácidos Nucleicos			
Código	V02M105V01104			
Titulación	Máster Universitario en Metodoloxía e Aplicacións en Bioloxía Molecular			
Descritores	Creditos ECTS	Sinale	Curso	Cuadrimestre
	4	OP	1	1c
Lingua de impartición	Castelán Galego Inglés			
Departamento	Bioquímica, xenética e inmunoloxía			
Coordinador/a	Pasantes Ludeña, Juan Jose			
Profesorado	Moran Martinez, Maria Paloma Pasantes Ludeña, Juan Jose			
Correo-e	pasantes@uvigo.es			
Web	http://http://cvida.uvigo.es/			
Descrición xeral	El curso proporciona los conceptos y procedimientos básicos sobre la hibridación de ácidos nucleicos y la metodología FISH			

Competencias de titulación

Código	
A6	Aplicar la metodología de hibridación in situ fluorescente (FISH) sobre cromosomas y obtener y marcar sondas

Competencias de materia

Resultados previstos na materia	Tipoloxía	Resultados de Formación e Aprendizaxe
· Adquirir conceptos y conocimientos sobre procedimientos propios de la hibridación de ácidos nucleicos · Profundizar en la metodología de hibridación in situ fluorescente (FISH) sobre cromosomas · Conocer los métodos habituales de obtención y marcaje de sondas · Conocer las características y aplicaciones de la metodología FISH	saber saber hacer	A6

Contidos

Tema	
Hibridación de ácidos nucleicos.	Conceptos generales. Obtención de sondas. Métodos de marcaje de ácidos nucleicos. Tipos de hibridación. Hibridación FISH. Aplicaciones de la hibridación in situ

Planificación

	Horas na aula	Horas fóra da aula	Horas totais
Prácticas de laboratorio	36	27	63
Presentacións/exposicións	2	12	14
Sesión maxistral	6	12	18
Probas de resposta curta	1	4	5

*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientador, considerando a heteroxeneidade do alumnado.

Metodoloxía docente

	Descrición
Prácticas de laboratorio	Las clases de prácticas comprenderán una breve explicación por parte del profesor sobre la base conceptual y objetivos a alcanzar y el desarrollo de tareas por parte del alumno, siguiendo un guión suministrado previamente. El alumno tendrá la máxima autonomía, facilitándole únicamente medios y orientación.

Presentacións/exposición Elaboración y exposición de un resumen de un trabajo científico en el que se utilice FISH

Sesión maxistral	En las clases magistrales el profesor explicará los contenidos fundamentales de cada tema del programa. Los seminarios consistirán en la exposición y debate de un trabajo. La elaboración de los trabajos se realizará bajo la tutela del profesor
------------------	---

Atención personalizada

Metodologías	Descripción
Prácticas de laboratorio	El profesor está siempre presente durante el desarrollo de las prácticas para atender todo tipo de dudas que puedan aparecer. El profesor estará disponible para resolver cualquier duda durante la preparación de los trabajos a presentar
Presentacións/exposicións	El profesor está siempre presente durante el desarrollo de las prácticas para atender todo tipo de dudas que puedan aparecer. El profesor estará disponible para resolver cualquier duda durante la preparación de los trabajos a presentar

Avaliación

	Descripción	Cualificación
Prácticas de laboratorio	Se realizará evaluación continua del trabajo en el laboratorio teniendo en cuenta, entre otros aspectos, el grado de interés, la habilidad en el trabajo y la meticulosidad del mismo.	60
Presentacións/exposicións	La evaluación de los conocimientos y habilidades adquiridas por el alumno se llevará a cabo teniendo en cuenta la calidad de la exposición oral del trabajo y las respuestas a las cuestiones planteadas durante el debate posterior a la misma.	20
Probas de resposta curta	Examen escrito que constará de preguntas cortas y tipo test sobre los aspectos tratados. En el se valorará el dominio de conceptos teóricos, claridad de las explicaciones y capacidad de relacionar e integrar la información tratada.	20

Outros comentarios sobre a Avaliación

Bibliografía. Fontes de información

Levsky JM, Singer RH, **Fluorescence in situ hybridization: Past, present and future.**, 2003,
 Speicher MR, Carter NP, **The new cytogenetics: Blurring the boundaries with molecular biology.**, 2005,
 Andreeff M, Pinkel D, **Introduction to Fluorescence In Situ Hybridization: Principles and Clinical Applications**, 1999,
 Darby IA, Hewitson TD, eds, **In situ hybridization protocols.**, 2005,

Darby IA, Hewitson TD, eds (2005). *In situ hybridization protocols*. Humana Press Inc, Totowa

Speicher MR, Carter NP (2005) The new cytogenetics: Blurring the boundaries with molecular biology. *Nature Reviews, Genetics* 6: 782-792

Recomendacións

DATOS IDENTIFICATIVOS				
Metodoloxía Xenética con PCR e Secuenciación: Relacións Evolutivas e de Parentesco				
Materia	Metodoloxía Xenética con PCR e Secuenciación: Relacións Evolutivas e de Parentesco			
Código	V02M105V01105			
Titulación	Máster Universitario en Metodoloxía e Aplicacións en Bioloxía Molecular			
Descritores	Creditos ECTS	Sinale	Curso	Cuadrimestre
	4	OP	1	1c
Lingua de impartición	Castelán			
Departamento	Bioquímica, xenética e inmunoloxía Dpto. Externo			
Coordinador/a	Sanjuan Lopez, Andres			
Profesorado	Comesaña Calvo, Angel Sebastián Sanjuan Lopez, Andres			
Correo-e	asanjuan@uvigo.es			
Web	http://http://cvida.uvigo.es/			
Descrición xeral	Se realizará unha introducción xeral aos distintos marcadores xenéticos moleculares. Se afondará nas técnicas de PCR e de secuenciación, cara a explicitar distintos marcadores xenéticos: PCR-RFPLs, microsatélites, RAPDs, AFLPs, secuencias de DNA, etc. Se estudiarán distintos casos de determinación das relacións de parentesco e de diferenciación xenética intraespecífica considerando diferentes marcadores. Asemade, se abordará a diagnose de distintas especies mediante marcadores xenéticos e se indagará sobre as relacións evolutivas de diferentes taxóns empregando secuencias de DNA.			

Competencias de titulación

Código	
A1	Capacidad para interpretar árbores filogenéticos y utilizarlos para el contraste de hipótesis biológicas
A2	Conocer las técnicas de obtención, registro, procesado, validación y transferencia de datos genéticos para la gestión genética de los recursos marinos
A8	Aplicar la técnica de la PCR y la secuenciación en estudios evolutivos y de biología molecular
A12	Realizar análisis estándar de genomas y evolución molecular y/o diseñar y programar sus propios análisis adaptados a sus necesidades

Competencias de materia

Resultados previstos na materia	Tipoloxía	Resultados de Formación e Aprendizaxe
Comprensión da variabilidade xenética das poboacións e os mecanismos involucrados nela.	saber	A1 A2
Coñecemento sobre a análise do grado de diferenciación xenética das poboacións mediante o uso de técnicas moleculares.		A8 A12
Adestramiento práctico perante a obtención experimental de datos de secuencias de DNA mitocondrial para a detección de diferenciación xenética.	saber facer	A1 A2 A8 A12

Contidos

Tema	
Tema 1. Introducción á reacción en cadea da polimerasa (PCR) e á secuenciación do DNA.	Tema 1. Introducción á reacción en cadea da polimerasa (PCR) e á secuenciación do DNA.
Tema 2. Aplicacións e modificacións da PCR.	Tema 2. Aplicacións e modificacións da PCR.
Tema 3. Secuenciación do DNA. Métodos.	Tema 3. Secuenciación do DNA. Métodos.
Tema 4. Marcadores moleculares e relacións de parentesco. Aplicacións.	Tema 4. Marcadores moleculares e relacións de parentesco. Aplicacións.
Tema 5. Diferenciación xenética e marcadores moleculares. Aplicacións	Tema 5. Diferenciación xenética e marcadores moleculares. Aplicacións

Planificación			
	Horas na aula	Horas fóra da aula	Horas totais
Sesión maxistral	5	10	15
Presentacións/exposicións	20	40	60
Prácticas de laboratorio	10	15	25

*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientador, considerando a heteroxeneidade do alumnado.

Metodoloxía docente	
	Descrición
Sesión maxistral	Explicación por parte dos docentes das leccións pertinentes
Presentacións/exposicións	Os alumnos realizarán seminarios previamente preparados onde expoñerán os resultados de publicacións internacionais onde se empreguen distintos marcadores moleculares e servan para exemplificar os distintos contidos teóricos.
Prácticas de laboratorio	Se intercalarán as clases teóricas e consistirán na realización por parte dos alumnos da amplificación por PCR e posterior secuenciación dun segmento dun xene mitocondrial nunha especie coñecida, todo isto baixo a supervisión dos docentes. Posteriormente se analizarán as secuencias obtidas empregando os programas informáticos ao uso.

Atención personalizada	
Metodoloxías	Descrición
Sesión maxistral	En todas as actividades se levará a cabo unha atención personalizada, de xeito que calquera estudante poderá intercambiar opinións cos docentes en público, e á súa demanda en privado. Ademais, se suxerirán aportacións de mellora na preparación das presentacións e nas propias exposicións.
Presentacións/exposicións	En todas as actividades se levará a cabo unha atención personalizada, de xeito que calquera estudante poderá intercambiar opinións cos docentes en público, e á súa demanda en privado. Ademais, se suxerirán aportacións de mellora na preparación das presentacións e nas propias exposicións.
Prácticas de laboratorio	En todas as actividades se levará a cabo unha atención personalizada, de xeito que calquera estudante poderá intercambiar opinións cos docentes en público, e á súa demanda en privado. Ademais, se suxerirán aportacións de mellora na preparación das presentacións e nas propias exposicións.

Avaliación		
	Descrición	Cualificación
Sesión maxistral	Avaliación continuada da participación activa e con senso.	0-10
Presentacións/exposicións	Avaliación da exposición e das respostas ás preguntas formuladas por outros estudantes e polos docentes. Se considerará non só a presentación dende un punto conceptual, senón tamén o seu aspecto formal e de claridade expositiva.	0-10
Prácticas de laboratorio	Avaliación continuada	0-10

Outros comentarios sobre a Avaliación

Bibliografía. Fontes de información

Bibliografía básica

Ausubel, F.M., R. Brent, R.E. Kingston, D.D. Moore, J.A. Smith, J.G. Seidman & K. Struhl (eds.), 1987. *Current protocols in molecular biology*. Wiley Interscience, NY.

Avice, J.C., 1994. *Molecular markers, Natural History and Evolution*. Chapman & Hall, NY.

Barlett, JM & D. Stirling (ed.), 2003. PCR protocols, 2nd ed. En *Methods in Molecular Biology* vol. 226. Human Press, 545 pp.

Davis, L., M. Kuehl, & J. Battey, 1994. *Basic methods in molecular biology*, 2nd edn. Appleton & Lange, Norwalk Connecticut.

Hillis, D.M., C. Moritz & B.K. Mable (eds.), 1996. *Molecular systematics*, 2nd edn. Sinauer Associates, Sunderland, MA.

Keith, M. (ed.), 2007. New high throughput technologies for DNA sequencing and genomics. Elsevier.

Maurer, J (ed.), 2006. PCR methods in food. Springer, NY.

McPherson M & S. Moller, 2006. PCR, 2nd ed.. New York Taylor & Francis.

Mullis, K.B., F. Ferré & R.A. Gibbs (eds.), 1995. *PCR. The polymerase chain reaction*. Birkhauser, Boston.

Rapley, R. (ed.), 1996. *PCR sequencing protocols*. Humana Press, Totwa, New Jersey.

Sambrook, J., E.F. Fritsch & T. Maniatis, 1989. *Molecular cloning, A laboratory manual*. Cold Spring Harbor Lab., Cold Spring Harbor, NY.

Swindell, S.R. (ed.), 1997. *Sequence data analysis guidebook* . Humana Press, Totwa, New Jersey.

Recomendacións

DATOS IDENTIFICATIVOS				
Diagnóstico Molecular en Patoloxías Hereditarias Humanas				
Materia	Diagnóstico Molecular en Patoloxías Hereditarias Humanas			
Código	V02M105V01106			
Titulación	Máster Universitario en Metodoloxía e Aplicacións en Bioloxía Molecular			
Descritores	Creditos ECTS	Sinale	Curso	Cuadrimestre
	4	OP	1	1c
Lingua de impartición	Castelán			
Departamento	Bioquímica, xenética e inmunoloxía			
Coordinador/a	Valverde Perez, Diana			
Profesorado	Valverde Perez, Diana			
Correo-e	dianaval@uvigo.es			
Web	http://http://cvida.uvigo.es/			
Descrición xeral	Este curso proporcionará la capacidad de elaboracion de análisis diagnóstico sobre enfermedades hereditarias			

Competencias de titulación

Código	
A1	Capacidad para interpretar árboles filogenéticos y utilizarlos para el contraste de hipótesis biológicas
A4	Diagnosticar patologías hereditarias, en función de la información genética disponible y de la causa genética responsable en la familia en estudio
A8	Aplicar la técnica de la PCR y la secuenciación en estudios evolutivos y de biología molecular
A11	Emplear marcadores moleculares para el estudio de la variabilidad genética de las poblaciones y en la gestión de programas de conservación
A17	Aprender a diseñar, analizar y exponer un trabajo de investigación

Competencias de materia

Resultados previstos na materia	Tipoloxía	Resultados de Formación e Aprendizaxe
Capacidad para interpretar árboles filogenéticos y utilizarlos para el contraste de hipótesis biológicas	saber	A1
Diagnosticar patologías hereditarias, en función de la información genética disponible y saber hacer de la causa genética responsable en la familia en estudio	saber hacer	A4
Aplicar la técnica de la PCR y la secuenciación en estudios evolutivos y de biología molecular	saber hacer	A8
Emplear marcadores moleculares para el estudio de la variabilidad genética de las poblaciones y en la gestión de programas de conservación	saber hacer	A11
Aprender a diseñar, analizar y exponer un trabajo de investigación	saber	A17

Contidos

Tema	
Introducción	Vision general del curso Evaluacion y actividades
1.-Elaboración y valoración de un árbol genealógico. Establecimiento de la herencia según datos familiares.	Definición. Historia familiar Recogida de información Conceptos y simbolos Tipos de herencia segun los árboles genealógicos.

2.-Complicaciones a los patrones mendelianos.	Penetrancia Expresión variable Enfermedades de aparición tardía Anticipación Impronta parental Mutaciones de novo Mosaicismo germinal Herencia mitocondrial Multifactorialidad
3.- La entrevista y el consentimiento informado.	Condiciones de la entrevista Diseño de un consentimiento informado Hoja de información al paciente Legislación
4.-Búsqueda de información en bases de datos específicas. Posibilidad de Análisis directo y análisis indirecto.	NCBI OMIM ENSEMBL
5.-Herencia dominante.	Enfermedad de Marfan y su diagnóstico molecular directo e indirecto.
6.-Herencia recesiva.	Fibrosis quística y su diagnóstico molecular directo e indirecto.
7.- Herencia ligada al cromosoma X.	Distrofia muscular de Duchenne/Becker análisis directo e indirecto.
8.- Herencia multigénica y efecto de genes moduladores	Ciliopatías

Planificación

	Horas na aula	Horas fóra da aula	Horas totais
Resolución de problemas e/ou exercicios	5	5	10
Estudo de casos/análises de situacións	7	7	14
Sesión maxistral	10	20	30
Traballos e proxectos	0	46	46

*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientador, considerando a heteroxeneidade do alumnado.

Metodoloxía docente

	Descrición
Resolución de problemas e/ou exercicios	Actividade na que se formulan problemas e/ou exercicios relacionados coa materia. O alumno debe desenvolver as solucións adecuadas ou correctas mediante a exercitación de rutinas, a aplicación de fórmulas ou algoritmos, a aplicación de procedementos de transformación da información dispoñible e a interpretación dos resultados. Adóitase empregar como complemento da lección maxistral.
Estudo de casos/análises de situacións	Análise dun feito, problema ou suceso real coa finalidade de coñecelo, interpretalo, resolvolo, xerar hipóteses, contrastar datos, reflexionar, completar coñecementos, diagnosticalo e adestrarse en procedementos alternativos de solución.
Sesión maxistral	Exposición por parte do profesor dos contidos sobre a materia obxecto de estudo, bases teóricas e/ou directrices dun traballo, exercicio ou proxecto a desenvolver polo estudante.

Atención personalizada

Probos	Descrición
Traballos e proxectos	Actividade académica desenvolvida polo profesorado, individual ou en pequeno grupo, que ten como finalidade atender as necesidades e consultas do alumnado relacionadas co estudo e/ou temas vinculados coa materia, proporcionándolle orientación, apoio e motivación no proceso de aprendizaxe. Esta actividade pode desenvolverse de forma presencial (directamente na aula e nos momentos que o profesor ten asignados a tutorías de despacho) ou de forma non presencial (a través do correo electrónico ou do campus virtual).

Avaliación

	Descrición	Cualificación
Resolución de problemas e/ou exercicios	O alumno debe desenvolver as solucións adecuadas ou correctas mediante a exercitación de rutinas, a aplicación de fórmulas ou algoritmos, a aplicación de procedementos de transformación da información dispoñible e a interpretación dos resultados	20
Estudo de casos/análises de situacións	Resolución de un problema ou suceso real coa finalidade de coñecelo, interpretalo, resolvolo, xerar hipóteses, contrastar datos, reflexionar, completar coñecementos, diagnosticalo e adestrarse en procedementos alternativos de solución	30
Traballos e proxectos	Realización e exposición en el aula de un traballo relacionado con alguna patoloxía hereditaria	50

Outros comentarios sobre a Avaliación

Bibliografía. Fontes de información

<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/>,

T. Strachan, Andrew P. Read, **Human Molecular Genetics 4**, 2010,

John Baynes MS, **Medical Biochemistry**, 2007,

Alan Wright, **Genes and Common Diseases: Genetics in Modern Medicine**, 2007,

Recomendacións

DATOS IDENTIFICATIVOS				
Aplicación dos Mecanismos de Resistencia á Bioloxía Funcional				
Materia	Aplicación dos Mecanismos de Resistencia á Bioloxía Funcional			
Código	V02M105V01107			
Titulación	Máster Universitario en Metodoloxía e Aplicacións en Bioloxía Molecular			
Descritores	Creditos ECTS	Sinale	Curso	Cuadrimestre
	3	OP	1	1c
Lingua de impartición	Castelán			
Departamento	Dpto. Externo			
Coordinador/a	Álvarez Fernández, Maximiliano			
Profesorado	Álvarez Fernández, Maximiliano Potel Alvarellos, Carmen			
Correo-e	maximiliano.alvarez.fernandez@se			
Web	http://http://cvida.uvigo.es/			
Descrición xeral	Introducción a la epidemiología, fenotipos, identificación y genética de los determinantes de resistencia a antimicrobianos. Trascendencia de estos en la salud, costes económicos y relación de la industria agropecuaria y ganadera con la diseminación e interrelación de los elementos genéticos móviles entre especies. Aplicaciones biológicas de los determinantes de resistencia.			

Competencias de titulación

Código	
A3	Aplicar los determinantes de resistencia a antimicrobianos. Conocer su trascendencia en la salud, costes económicos y relación de la industria agropecuaria y ganadera con la diseminación e interrelación de los elementos genéticos móviles entre especies

Competencias de materia

Resultados previstos na materia	Tipoloxía	Resultados de Formación e Aprendizaxe
Aplicar los determinantes de resistencia a antimicrobianos. Conocer su trascendencia en la salud, costes económicos y relación de la industria agropecuaria y ganadera con la diseminación e interrelación de los elementos genéticos móviles entre especies	saber saber facer	A3
Capacidad de síntesis y para la resolución de problemas	saber saber facer	A3
Utilización de criterios y métodos científicos para realizar diseños experimentales	saber saber facer	A3
Desarrollo de hábitos de estudio, capacidad de autoaprendizaje planificado y continuo, iniciativa, creatividad y trabajo en equipo, dentro de un contexto interdisciplinar	saber saber facer Saber estar / ser	A3
Aprendizaje de la búsqueda y utilización de las fuentes bibliográficas	saber saber facer	A3
Habilidades en la comunicación y discusión de ideas	saber saber facer	A3
Desarrollo de la curiosidad científica	Saber estar / ser	A3

Contidos

Tema	
Tema 1. Introducción a la epidemiología, fenotipos, identificación y genética de los determinantes de resistencia a antimicrobianos.	Mecanismos de resistencia a antimicrobianos más frecuentes y como se identifican los potenciales determinantes genéticos
Tema 2. Trascendencia de la resistencia a antimicrobianos en la salud, costes económicos.	Costes directos e indirectos para la salud y sistemas de producción.
Tema 3. Relación de la industria agropecuaria y ganadera con la diseminación e interrelación de los elementos genéticos móviles entre especies.	Dispersión de los determinantes de resistencia a antimicrobianos plásmidos, transposones, integrones, fagos.
Tema 4. Aplicaciones biológicas de los determinantes de resistencia.	Como herramientas en la el laboratorio

Tema práctico 1. Identificación de los genes de resistencia y los productos de estos.	De la teoría a la práctica, los mecanismos de resistencia más prevalentes y cómo identificarlos
Tema práctico 2. Análisis de la relación entre resistencia, clonalidad y las relaciones intra e interespecies	Expansión clonal y diseminación de los determinantes de resistencia en diferentes especies bacterianas

Planificación

	Horas en aula	Horas fuera de aula	Horas totales
Sesión magistral	10	20	30
Tutoría en grupo	3	0	3
Prácticas de laboratorio	12	21	33
Informes/memorias de prácticas	0	9	9

*Los datos que aparecen en la tabla de planificación son de carácter orientador, considerando la heterogeneidad del alumnado.

Metodología docente

	Descripción
Sesión magistral	El profesor explica y desarrolla los fundamentos teóricos. El estudiante asimila estos y plantea las dudas
Tutoría en grupo	El profesor resuelve dudas planteadas por el alumno
Prácticas de laboratorio	Las prácticas consistirán en dos jornadas presenciales de 6 horas cada una realizadas en los laboratorios de Microbiología de Complejo Hospitalario Universitario de Vigo donde se repasarán diferentes metodologías aplicadas al contenido del curso.

Atención personalizada

Metodologías Descripción

Tutoría en grupo	Para favorecer un aprendizaje crítico, fundamentaremos la comprensión empleando la metodología de casos. Estos serán analizados por los alumnos y discutidos ante sus compañeros.
------------------	---

Avaluación

	Descripción	Cualificación
Informes/memorias de prácticas	El profesor revisa los resultados obtenidos y la metodología empleada	40% de la calificación

Otros comentarios sobre la Avaluación

Evaluación continuada

Bibliografía. Fuentes de información

Christopher Walsh, **-Antibiotics: Actions, origins, resistance**, ASM Press 2003,
F Depardieu, F Podlajen, R Leclercq, E Collatz, P Courvalin, **Modes and modulations of antibiotic resistance gene expression**,
FM Aerestrup, **-Antimicrobial resistance in bacteria of animal origin**, ASM Press,
AC Fluit, MR Visser, FJ Schmitz, **Molecular detection of antimicrobial resistance**,

Recomendaciones

DATOS IDENTIFICATIVOS**Métodos de Análise de Marcadores Xenéticos. Aplicación en Estudos de Evolución Humana**

Métodos de Análise de Marcadores Xenéticos. Aplicación en Estudos de Evolución Humana				
Materia	Métodos de Análise de Marcadores Xenéticos. Aplicación en Estudos de Evolución Humana			
Código	V02M105V01108			
Titulación	Máster Universitario en Metodoloxía e Aplicacións en Bioloxía Molecular			
Descritores	Creditos ECTS	Sinale	Curso	Cuadrimestre
	3	OP	1	1c
Lingua de impartición	Castelán			
Departamento	Bioquímica, xenética e inmunoloxía			
Coordinador/a	Rodríguez Luís, Javier			
Profesorado	Rodríguez Luís, Javier			
Correo-e	bajrluis@uvigo.es			
Web	http://http://cvida.uvigo.es/			
Descrición xeral	Este curso profundiza en los métodos de análisis de marcadores genéticos en su aplicación específica a la genética de poblaciones humanas; tanto desde el punto de vista de las técnicas de genotipado molecular como del análisis estadístico y filogenético de los datos obtenidos.			

Competencias de titulación

Código	
A1	Capacidad para interpretar árboles filogenéticos y utilizarlos para el contraste de hipótesis biológicas
A11	Emplear marcadores moleculares para el estudio de la variabilidad genética de las poblaciones y en la gestión de programas de conservación
A13	Tratar estadísticamente datos experimentales en Biología molecular

Competencias de materia

Resultados previstos na materia	Tipoloxía	Resultados de Formación e Aprendizaxe
Que el alumno conozca una amplía gama de técnicas de análisis de los polimorfismos de ADN.	saber	A11
Que el alumno conozca las principales metodologías de análisis estadístico y filogenético de los polimorfismos de ADN y las peculiaridades que presentan en su aplicación a la especie humana.	saber	A1 A11 A13
Que el alumno sea capaz de descifrar y editar los resultados de la secuenciación de un fragmento de ADN humano, generar árboles filogenéticos y hacer interpretaciones de carácter poblacional.	saber saber facer	A1 A11 A13

Contidos

Tema	
Análisis de marcadores genéticos	Clasificación y descripción de marcadores genéticos de interés en estudios evolutivos. Métodos de análisis de los diferentes tipos de marcadores genéticos. Análisis de ADN antiguo.
Fundamentos teóricos de genética de poblaciones	Diversidad genética. Métodos filogenéticos. Filogeografía.
Evidencias genéticas del origen e historia de los humanos modernos.	
Análisis práctico de secuencias nucleótidas	Edición de secuencias nucleótidas obtenidas en un secuenciador automático. Alineamiento de secuencias. Generación de árboles filogenéticos. Interpretación de datos genético-moleculares

Planificación			
	Horas na aula	Horas fóra da aula	Horas totais
Seminarios	3	9	12
Prácticas autónomas a través de TIC	8	10	18
Sesión maxistral	15	30	45

*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientador, considerando a heteroxeneidade do alumnado.

Metodoloxía docente	
	Descrición
Seminarios	Cada alumno deberá presentar un resumen/comentario sobre una publicación científica relacionada con la temática de la materia. Discusión y debate acerca de las publicaciones citadas anteriormente.
Prácticas autónomas a través de TIC	El alumno deberá realizar, mediante la utilización de diversos programas informáticos, el análisis de un conjunto de datos propios o presentados por el profesor, utilizando alguna de las metodologías descritas durante el curso, y presentar un informe con los resultados obtenidos
Sesión maxistral	Sesiones donde se introducen los conocimientos teóricos necesarios para adquirir las competencias previstas en la materia.

Atención personalizada	
Metodoloxías	Descrición
Prácticas autónomas a través de TIC	El profesor supervisará, de forma individualizada, la realización de los análisis que deben llevar cabo los alumnos.

Avaliación		
	Descrición	Cualificación
Seminarios	Se evaluará el análisis, interpretación y discusión de un artículo de investigación.	0-50
Prácticas autónomas a través de TIC	Se evaluará la correcta realización e interpretación de los análisis realizados en las sesiones prácticas	0-50

Outros comentarios sobre a Avaliación

Bibliografía. Fontes de información

L. Luca Cavalli-Sforza, Paolo Menozzi, Alberto Piazza, **The history and geography of human genes**, Princeton University Press,

Mark A. Jobling, Matthew Hurles, Chris Tyler-Smith, **Human evolutionary genetics : origins, peoples and disease**, Garland Science,

Hans-Jürgen Bandelt, Vincent Macaulay, Martin Richards, **Human mitochondrial DNA and the evolution of homo sapiens**, Springer,

Recomendacións

DATOS IDENTIFICATIVOS				
Inmunonanotecnología				
Materia	Inmunonanotecnología			
Código	V02M105V01109			
Titulación	Máster Universitario en Metodología e Aplicacións en Bioloxía Molecular			
Descritores	Creditos ECTS	Sinale	Curso	Cuadrimestre
	3	OP	1	1c
Lingua de impartición	Castelán			
Departamento	Bioquímica, xenética e inmunoloxía Dpto. Externo			
Coordinador/a	Gonzalez Fernandez, Maria Africa			
Profesorado	Díaz Freitas, Belén Gonzalez Fernandez, Maria Africa Lorenzo Abalde, Silvia			
Correo-e	africa@uvigo.es			
Web	http://http://cvida.uvigo.es/			
Descrición xeral	1.- Adquisición de conocimientos teórico-prácticos sobre los últimos avances en Inmunología y Nanotecnología. 2.- Aprender a diseñar técnicas que evalúen respuesta inmune, biocompatibilidad, biosensores, con especial hincapié en la reproducibilidad, sistemática, límites de la técnica, análisis de los resultados e interpretación de los mismos. 3.- Capacidad crítica, comparación de trabajos científicos en cuanto a metodología, planteamiento y conclusiones 4.- Búsqueda de fuentes bibliográficas			

Competencias de titulación	
Código	
A7	Utilizar anticuerpos en diagnóstico y terapia. Participar como biólogo en el desarrollo de nanovacunas o en el estudio de biocompatibilidad de nanoestructuras
A17	Aprender a diseñar, analizar y exponer un trabajo de investigación

Competencias de materia		
Resultados previstos na materia	Tipoloxía	Resultados de Formación e Aprendizaxe
Utilizar anticuerpos en diagnóstico y terapia.	saber	A7 A17
Estudio bibliográfico de separatas, libros científicos, exposición oral	saber saber facer Saber estar / ser	A17
Conocimientos de la interacción nanopartículas-organismo	saber	A7
Toxicidad a nanopartículas, respuesta inmune	saber facer	A7 A17
Desarrollo de biosensores; escala micro y nanométrica	saber saber facer	A7 A17

Contidos	
Tema	
1. Introducción a la nanomedicina en diagnóstico y terapia.	Concepto de Nanomedicina
2. Inmunología y Nanotecnología	Conceptos básicos de Inmunología básica y aplicada Nanotecnología y su potencial biomédico
3. Diseño de inmunosensores	Técnicas Inmunológicas actuales Nuevos inmunosensores
4. Toxicidad y respuesta inmune a nanopartículas	Concepto de Biocompatibilidad Toxicidad Técnicas para determinar biocompatibilidad Respuesta inmune

Planificación

	Horas na aula	Horas fóra da aula	Horas totais
Prácticas de laboratorio	20	4	24
Traballos tutelados	1	24	25
Titoría en grupo	2	0	2
Resolución de problemas e/ou exercicios de forma autónoma	1	11	12
Sesión maxistral	10	2	12

*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientador, considerando a heteroxeneidade do alumnado.

Metodoloxía docente

	Descrición
Prácticas de laboratorio	Estudio de respuesta a vacunas en animales y respuesta inmune a nanopartículas.
	Diseño de técnicas in vitro para analizar biocompatibilidad
Traballos tutelados	Búsqueda de información a partir de separata facilitada por el profesor
Titoría en grupo	Estudio de adquisición de las habilidades, problemática surgida, calidad del trabajo presentado, resolución de dudas en grupos.
Resolución de problemas e/ou exercicios de forma autónoma	Evaluación de los conocimientos adquiridos teórico-prácticos
Sesión maxistral	El profesor expone las bases teórica y prácticas de la materia

Atención personalizada

Metodoloxías	Descrición
Prácticas de laboratorio	Los alumnos en fecha prefijada con el profesor, abordarán temas relativos a la materia, al trabajo propuesto, dudas, problemas...
Titoría en grupo	Los alumnos en fecha prefijada con el profesor, abordarán temas relativos a la materia, al trabajo propuesto, dudas, problemas...

Avaliación

	Descrición	Cualificación
Prácticas de laboratorio	Se realizará un examen de preguntas cortas relativo a las prácticas realizadas	Supondrá un 20% de la nota final
Traballos tutelados	Se evaluará el trabajo presentado	Supondrá un 15% de la nota final
Resolución de problemas e/ou exercicios de forma autónoma	Se evaluará la resolución de problemas	Supondrá un 10% de la nota final
Sesión maxistral	Se realizará un examen de preguntas cortas	Supondrá un 55% de la nota final

Outros comentarios sobre a Avaliación**Bibliografía. Fontes de información**

JANEWAY, TRAVERS, **IMMUNOBIOLOGIA**, 2006,
 Robert A. Freitas Jr., **Nanomedicine**, 1999,
 Kewal K. Jain, **The Handbook of Nanomedicine**, 2008,
 Zhongwu Guo (Author), Geert-Jan Boons, **Carbohydrate-Based Vaccines and Immunotherapies**, 2009,

**Recomendacións****Materias que se recomenda cursar simultaneamente**

Obtención e Aplicación de Anticorpos Monoclonais/V02M105V01112

DATOS IDENTIFICATIVOS				
Princípios Funcionais e Control da Actividade Enzimática				
Materia	Princípios Funcionais e Control da Actividade Enzimática			
Código	V02M105V01110			
Titulación	Máster Universitario en Metodoloxía e Aplicacións en Bioloxía Molecular			
Descritores	Creditos ECTS	Sinale	Curso	Cuadrimestre
	3	OP	1	1c
Lingua de impartición	Castelán			
Departamento	Bioquímica, xenética e inmunoloxía			
Coordinador/a	Gil Martin, Emilio			
Profesorado	Fernandez Briera, Maria Almudena Gil Martin, Emilio			
Correo-e	egil@uvigo.es			
Web	http://http://cvida.uvigo.es/			
Descrición xeral	Curso enfocado al logro de un conocimiento teórico avanzado sobre los fundamentos de la catálisis enzimática y su regulación, así como a la adquisición de la capacidad práctica para analizar la actividad de las enzimas y al conocimiento de sus aplicaciones clínicas.			

Competencias de titulación

Código	
A15	Conocer diversos aspectos de enzimología avanzada
A17	Aprender a diseñar, analizar y exponer un trabajo de investigación

Competencias de materia

Resultados previstos na materia	Tipoloxía	Resultados de Formación e Aprendizaxe
Conocer diversos aspectos de enzimología avanzada	saber	A15
Aprender a diseñar, analizar y exponer un trabajo de investigación	saber facer	A17

Contidos

Tema	
Tema 1. Estructura y función de las enzimas.	Las enzimas como catalizadores biológicos: concepto y características. Fundamentos de la estructura de las enzimas en disolución.
Tema 2. Mecanismos catalíticos de las enzimas.	Fundamentos de la actividad enzimática. Factores responsables de la eficacia catalítica. Estrategias catalíticas. Ruptura del paradigma de la catálisis proteica en los sistemas biológicos. Diseño de nuevas enzimas.
Tema 3. Cinética enzimática.	Cinética de las reacciones con un sustrato. Cinética de las reacciones con dos o más sustratos. Factores que afectan a la actividad enzimática: concentración de enzima y de sustrato, pH, temperatura, activadores e inhibidores. Regulación de la actividad enzimática por efectores. Inhibición enzimática reversible: sistemas puros y mixtos. Inhibición irreversible. Activación no covalente reversible.
Tema 4. Modulación de la actividad de las enzimas.	Alternativas de control de la actividad de una enzima individual. Control por cambio en la estructura covalente de la enzima. Control por cambios conformacionales reversibles inducidos por ligandos: cooperatividad y alosterismo. Control de las vías metabólicas. Formulación de teorías sobre el control de rutas metabólicas: control metabólico. Las enzimas en los sistemas organizados: las enzimas en la célula.
Tema 5. Enzimología clínica.	Fundamentos de la enzimología diagnóstica en suero. Principios de las determinaciones enzimáticas. Enzimas con significado clínico. Determinación enzimática en los elementos formes de la sangre.

Planificación

	Horas na aula	Horas fóra da aula	Horas totais
Sesión maxistral	15	15	30

Prácticas de laboratorio	10	20	30
Resolución de problemas e/ou exercicios de forma autónoma	1	5	6
Tutoría en grupo	2	0	2
Probas de resposta curta	1	2.5	3.5
Informes/memorias de prácticas	1	2.5	3.5

*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientador, considerando a heteroxeneidade do alumnado.

Metodoloxía docente

	Descrición
Sesión maxistral	Las sesiones teóricas, abordadas en forma de exposición y debate con los alumnos, proporcionan conceptos avanzados de enzimología teórica y experimental sobre enzimas clásicas (michaelianas) y alostéricas. El estudiante asimila conceptos, desarrolla razonamientos críticos sobre ellos y plantea dudas e inquietudes.
Prácticas de laboratorio	En estas actividades prácticas el alumno recibe un protocolo experimental, que es explicado detalladamente por el profesor. Se le indica la metodología de la práctica, así como el equipamiento instrumental que va a necesitar. Bajo la atenta y continua supervisión del profesor, el alumno desarrolla la práctica; lleva a cabo el experimento y, con posterioridad, realiza los cálculos numéricos, confecciona las representaciones gráficas pertinentes e interpreta los resultados. Al final de este proceso debe entregar una Memoria de la práctica en la que queden reflejados todos los pasos dados, los resultados obtenidos, además de la interpretación y discusión crítica de éstos según los contenidos teóricos abordados en las conferencias de teoría.
Resolución de problemas e/ou exercicios de forma autónoma	Durante el desarrollo de las sesiones teóricas de la Materia se proporciona al alumnado un conjunto de problemas de enzimología para su resolución personal, basándose en las instrucciones y los ejemplos resueltos en las primeras. Una parte de estos problemas se resolverá en una de las sesiones de teoría, mientras que el resto se resolverá autónomamente por cada alumno.
Tutoría en grupo	En las horas de tutorías, el profesor se entrevista con grupos reducidos de alumnos y resuelve las dudas o ayuda a superar las dificultades que se les vaya planteando en el desarrollo de las actividades formativas de la Materia.

Atención personalizada

Metodoloxías	Descrición
Tutoría en grupo	Clases prácticas (de laboratorio): El Profesor supervisa de manera continua el trabajo de cada estudiante en el desarrollo de la tarea experimental. Finalizada ésta, la atención personalizada continúa durante el tratamiento matemático de los resultados, su representación gráfica y la interpretación de los resultados que se obtengan. Las dificultades surgidas en la resolución de los problemas propuestos pueden ser tratadas en tutorías con los profesores durante las fechas de impartición de la Materia o en otras previamente pactadas con los alumnos; asimismo, se les brinda la oportunidad de despachar vía e-mail con los profesores para atender cualquier dificultad planteada o cualquier aclaración sobre los contenidos teóricos o prácticos de la Materia. Esta actividad (no presencial) tendrá una duración variable para cada alumno. Durante las horas de tutorías el profesor atienden personalmente las dificultades que cada alumno tenga en el seguimiento de la Materia o en la elaboración de las tareas y trabajos encomendados.
Prácticas de laboratorio	Clases prácticas (de laboratorio): El Profesor supervisa de manera continua el trabajo de cada estudiante en el desarrollo de la tarea experimental. Finalizada ésta, la atención personalizada continúa durante el tratamiento matemático de los resultados, su representación gráfica y la interpretación de los resultados que se obtengan. Las dificultades surgidas en la resolución de los problemas propuestos pueden ser tratadas en tutorías con los profesores durante las fechas de impartición de la Materia o en otras previamente pactadas con los alumnos; asimismo, se les brinda la oportunidad de despachar vía e-mail con los profesores para atender cualquier dificultad planteada o cualquier aclaración sobre los contenidos teóricos o prácticos de la Materia. Esta actividad (no presencial) tendrá una duración variable para cada alumno. Durante las horas de tutorías el profesor atienden personalmente las dificultades que cada alumno tenga en el seguimiento de la Materia o en la elaboración de las tareas y trabajos encomendados.
Resolución de problemas e/ou exercicios de forma autónoma	Clases prácticas (de laboratorio): El Profesor supervisa de manera continua el trabajo de cada estudiante en el desarrollo de la tarea experimental. Finalizada ésta, la atención personalizada continúa durante el tratamiento matemático de los resultados, su representación gráfica y la interpretación de los resultados que se obtengan. Las dificultades surgidas en la resolución de los problemas propuestos pueden ser tratadas en tutorías con los profesores durante las fechas de impartición de la Materia o en otras previamente pactadas con los alumnos; asimismo, se les brinda la oportunidad de despachar vía e-mail con los profesores para atender cualquier dificultad planteada o cualquier aclaración sobre los contenidos teóricos o prácticos de la Materia. Esta actividad (no presencial) tendrá una duración variable para cada alumno. Durante las horas de tutorías el profesor atienden personalmente las dificultades que cada alumno tenga en el seguimiento de la Materia o en la elaboración de las tareas y trabajos encomendados.

Avaliación		
	Descripción	Cualificación
Probas de resposta curta	El examen final de teoría consistirá en un conjunto de preguntas sobre los contenidos fundamentales desarrollados durante la Materia. Representará el 40% de la calificación final.	50
	La consideración de la asistencia, aprovechamiento y participación de cada alumno en las sesiones de exposición y debate de los contenidos teóricos supondrá un 10% de la calificación final.	
Informes/memorias de prácticas	Se solicitará de cada alumno la entrega por escrito de los resultados de las dos experiencias prácticas en forma de Memoria y la presentación ante los profesores responsables de los resultados y conclusiones más importantes contenidos en ella. Representará el 40% de la calificación final.	50
	Durante la estancia en el laboratorio, los profesores tomarán nota del interés y atención de cada alumno, así como de su participación efectiva y de su autonomía en la realización de los experimentos. Este registro supondrá un 10% de la calificación final.	

Outros comentarios sobre a Avaliación

Prácticas. Durante la estancia en el laboratorio, los profesores tomarán nota del interés y atención de cada alumno, así como de su participación efectiva y de su autonomía en la realización de los experimentos. Este registro supondrá un 10% de la calificación final.

Bibliografía. Fontes de información

Núñez de Castro, I., **Enzimología**, 2001; Pirámide,
Price, N.C., Stevens, L., **Fundamentals of enzymology**, 3th ed, 1999; Oxford University Press,
Bugg, T.D.H., **Introduction to enzyme and coenzyme chemistry**, 2nd ed, 2004; Blackwell Publishing, Ltd,
Eisenthal, R., Danson, M.J., **Enzyme assays**, 2002; Oxford University Press,
Arriaga, D., Soler J., Busto F., Cadenas E., **Manual de ejercicios de cinética enzimática**, 1998; Servicio de Publicaciones de la Universidad de León,
Cornish-Bowden, A., **Fundamentals of Enzyme Kinetics**, 1979; Butterworths,
Dixon, M., Webb, E.C., **Enzymes**, 1979; Longman,
International Union of Biochemistry & Molecular Biology, **Enzyme Nomenclature**, 1992; Academic Press, Inc.,
Segel, I.H., **Enzyme kinetics**, 1993; Wiley-Interscience Publ.,
Henry's 21th ed, **Clinical diagnosis and management by laboratory methods**, 2007; Saunders, Elsevier,

Recomendacións

Materias que continúan o temario

(*)/

Materias que se recomienda cursar simultaneamente

(*)/

DATOS IDENTIFICATIVOS				
Técnicas Radioisotópicas				
Materia	Técnicas Radioisotópicas			
Código	V02M105V01111			
Titulación	Máster Universitario en Metodoloxía e Aplicacións en Bioloxía Molecular			
Descritores	Creditos ECTS	Sinale	Curso	Cuadrimestre
	3	OP	1	1c
Lingua de impartición	Castelán			
Departamento	Bioquímica, xenética e inmunoloxía			
Coordinador/a	Fernandez Briera, Maria Almudena			
Profesorado	Fernandez Briera, Maria Almudena Gil Martin, Emilio			
Correo-e	abriera@uvigo.es			
Web	http://http://cvida.uvigo.es/			
Descrición xeral	Curso enfocado al logro de un conocimiento teórico avanzado de las bases físicas de la radiactividad, de su medición y la legislación reguladora, así como a la adquisición de la capacidad práctica para desarrollar estrategias experimentales de uso de los isótopos radiactivos en Biología.			

Competencias de titulación

Código	
A16	Aplicar técnicas radioisotópicas a estudios biológicos
A17	Aprender a diseñar, analizar y exponer un trabajo de investigación

Competencias de materia

Resultados previstos na materia	Tipoloxía	Resultados de Formación e Aprendizaxe
Aprender a diseñar, analizar y exponer un trabajo de investigación	saber saber facer	A17
Aplicar técnicas radioisotópicas a estudios biológicos	saber saber facer	A16

Contidos

Tema	
TEMA 1. RADIATIVIDAD: NOCIONES BÁSICAS.	Radiactividad: leyes y tipos. Radiactividad natural. Desintegración radiactiva: tipos Leyes y unidades. Radiactividad artificial
TEMA 2. DETECCIÓN DE RADIACIÓN	Detección de radiación BETA Detección de radiación GAMMA
TEMA 3. UTILIZACIÓN DE RADIOISÓTOPOS	Experimentos con radioisótopos Aplicaciones de isótopos radiactivos en experimentación en biología. Autorradiografía
TEMA 4. LEGISLACIÓN Y NORMATIVAS	Efectos biológicos de la radiación y bases de la legislación. Límites de dosis. Protección personal. Legislación sobre Protección Radiológica en España

Planificación

	Horas na aula	Horas fóra da aula	Horas totais
Prácticas de laboratorio	10	20	30
Titoría en grupo	2	0	2
Resolución de problemas e/ou exercicios de forma autónoma	1	5	6
Sesión maxistral	10	20	30
Probos de resposta curta	1	2.5	3.5
Informes/memorias de prácticas	1	2.5	3.5

*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientador, considerando a heteroxeneidade do alumnado.

Metodoloxía docente	
	Descrición
Prácticas de laboratorio	La actividad práctica se realizará en el laboratorio habilitado del CACTI, una instalación de nivel II a la que se permite acceder a los alumnos bajo la supervisión y responsabilidad de los Profesores del Curso. En estas actividades prácticas, el alumno recibe un protocolo experimental. Se le indica la metodología de la práctica, así como el equipamiento instrumental que va a necesitar. Con posterioridad, realiza los cálculos numéricos, confecciona las representaciones gráficas pertinentes e interpreta los resultados.
Titoría en grupo	El profesor se entrevista con grupos reducidos de alumnos y resuelve las dudas o ayuda a superar las dificultades que se les vaya planteando en el desarrollo de las actividades formativas de la materia.
Resolución de problemas e/ou exercicios de forma autónoma	Durante el desarrollo de las sesiones teóricas del Curso se proporciona al alumnado un conjunto de problemas sobre el uso y transformación de unidades de desintegración isotópica. Aplicando los contenidos teóricos recibidos y siguiendo las indicaciones pertinentes, se solicita a cada alumno que los resuelva. Algún exemplo tipo de estos problemas se abordará en una de las sesiones de teoría, pero el resto deberá resolverlos individualmente.
Sesión maxistral	Las sesiones de teoría se estructuran en forma de conferencias, seguidas de un debate con los alumnos. En el curso de estas conferencias se exponen los desarrollos teóricos de los contenidos que resultan necesarios para alcanzar los objetivos formativos del Curso.

Atención personalizada	
Metodoloxías	Descrición
Sesión maxistral	Las sesiones de teoría se estructuran en forma de conferencias, seguidas de un debate con los alumnos. En el curso de este debate se atienden las dudas y explicaciones que necesite cada alumno. Una vez finalizadas las sesiones teóricas, se realiza la actividad práctica en el laboratorio habilitado del CACTI. En estas actividades prácticas se desarrollan bajo la atenta y continua supervisión del profesor. El alumno desarrolla la práctica en condiciones de total seguridad frente a la contaminación, lleva a cabo el experimento y, con posterioridad, realiza los cálculos numéricos, confecciona las representaciones gráficas pertinentes e interpreta los resultados. En las horas de tutorías, el profesor se entrevista con grupos reducidos de alumnos y resuelve las dudas o ayuda a superar las dificultades que se les vaya planteando en el desarrollo de las actividades formativas de la materia. Durante el desarrollo de las sesiones teóricas del Curso se proporciona al alumnado un conjunto de problemas sobre el uso y transformación de unidades de desintegración isotópica. Aplicando los contenidos teóricos recibidos y siguiendo las indicaciones pertinentes, se solicita a cada alumno que los resuelva. Algún exemplo tipo de estos problemas se abordará en una de las sesiones de teoría, pero el resto deberá resolverlos individualmente. Se acordará fechas de tutorías con los alumnos (o se despachará con ellos vía e-mail) de cara a solventar cuantas dificultades encuentran tanto en la resolución de los problemas como en cualquier otro asunto relacionado con los contenidos del Curso.
Prácticas de laboratorio	Las sesiones de teoría se estructuran en forma de conferencias, seguidas de un debate con los alumnos. En el curso de este debate se atienden las dudas y explicaciones que necesite cada alumno. Una vez finalizadas las sesiones teóricas, se realiza la actividad práctica en el laboratorio habilitado del CACTI. En estas actividades prácticas se desarrollan bajo la atenta y continua supervisión del profesor. El alumno desarrolla la práctica en condiciones de total seguridad frente a la contaminación, lleva a cabo el experimento y, con posterioridad, realiza los cálculos numéricos, confecciona las representaciones gráficas pertinentes e interpreta los resultados. En las horas de tutorías, el profesor se entrevista con grupos reducidos de alumnos y resuelve las dudas o ayuda a superar las dificultades que se les vaya planteando en el desarrollo de las actividades formativas de la materia. Durante el desarrollo de las sesiones teóricas del Curso se proporciona al alumnado un conjunto de problemas sobre el uso y transformación de unidades de desintegración isotópica. Aplicando los contenidos teóricos recibidos y siguiendo las indicaciones pertinentes, se solicita a cada alumno que los resuelva. Algún exemplo tipo de estos problemas se abordará en una de las sesiones de teoría, pero el resto deberá resolverlos individualmente. Se acordará fechas de tutorías con los alumnos (o se despachará con ellos vía e-mail) de cara a solventar cuantas dificultades encuentran tanto en la resolución de los problemas como en cualquier otro asunto relacionado con los contenidos del Curso.

Tutoría en grupo Las sesiones de teoría se estructuran en forma de conferencias, seguidas de un debate con los alumnos. En el curso de este debate se atienden las dudas y explicaciones que necesite cada alumno. Una vez finalizadas las sesiones teóricas, se realiza la actividad práctica en el laboratorio habilitado del CACTI. En estas actividades prácticas se desarrollan bajo la atenta y continua supervisión del profesor. El alumno desarrolla la práctica en condiciones de total seguridad frente a la contaminación, lleva a cabo el experimento y, con posterioridad, realiza los cálculos numéricos, confecciona las representaciones gráficas pertinentes e interpreta los resultados. En las horas de tutorías, el profesor se entrevista con grupos reducidos de alumnos y resuelve las dudas o ayuda a superar las dificultades que se les vaya planteando en el desarrollo de las actividades formativas de la materia. Durante el desarrollo de las sesiones teóricas del Curso se proporciona al alumnado un conjunto de problemas sobre el uso y transformación de unidades de desintegración isotópica. Aplicando los contenidos teóricos recibidos y siguiendo las indicaciones pertinentes, se solicita a cada alumno que los resuelva. Algún ejemplo tipo de estos problemas se abordará en una de las sesiones de teoría, pero el resto deberá resolverlos individualmente. Se acordará fechas de tutorías con los alumnos (o se despachará con ellos vía e-mail) de cara a solventar cuantas dificultades encuentran tanto en la resolución de los problemas como en cualquier otro asunto relacionado con los contenidos del Curso.

Resolución de problemas e/ou ejercicios de forma autónoma Las sesiones de teoría se estructuran en forma de conferencias, seguidas de un debate con los alumnos. En el curso de este debate se atienden las dudas y explicaciones que necesite cada alumno. Una vez finalizadas las sesiones teóricas, se realiza la actividad práctica en el laboratorio habilitado del CACTI. En estas actividades prácticas se desarrollan bajo la atenta y continua supervisión del profesor. El alumno desarrolla la práctica en condiciones de total seguridad frente a la contaminación, lleva a cabo el experimento y, con posterioridad, realiza los cálculos numéricos, confecciona las representaciones gráficas pertinentes e interpreta los resultados. En las horas de tutorías, el profesor se entrevista con grupos reducidos de alumnos y resuelve las dudas o ayuda a superar las dificultades que se les vaya planteando en el desarrollo de las actividades formativas de la materia. Durante el desarrollo de las sesiones teóricas del Curso se proporciona al alumnado un conjunto de problemas sobre el uso y transformación de unidades de desintegración isotópica. Aplicando los contenidos teóricos recibidos y siguiendo las indicaciones pertinentes, se solicita a cada alumno que los resuelva. Algún ejemplo tipo de estos problemas se abordará en una de las sesiones de teoría, pero el resto deberá resolverlos individualmente. Se acordará fechas de tutorías con los alumnos (o se despachará con ellos vía e-mail) de cara a solventar cuantas dificultades encuentran tanto en la resolución de los problemas como en cualquier otro asunto relacionado con los contenidos del Curso.

Avaliación

	Descripción	Cualificación
Probas de resposta curta	Un examen final evaluará los conocimientos adquiridos por el alumno sobre los contenidos teóricos del curso.	40%
Informes/memorias de prácticas	Se solicitará de cada alumno la entrega por escrito de los resultados de la práctica en formato de informe científico. Además, cada alumno deberá presentar ante los profesores responsables los resultados y conclusiones más importantes de este informe, así como responder a las consideraciones que se le expresen sobre ella: la solidez científica de la exposición y de la defensa de este trabajo.	40

Outros comentarios sobre a Avaliación

Bibliografía. Fontes de información

Slater R.J., **Radioisotopes in Biology**, Oxford University Press, 2002,

Billington D., Jayson G.G. & Maltby P.J., **Radioisotopes**, Bios Scientific Publishers, Oxford, 1992,

Wilson K. & Walker J. (eds.), **Principles and Techniques of Biochemistry and Molecular Biology (6th ed)**, Cambridge University Press, 2005,

Real Decreto 783/2001, de 6 de Julio, por el que se aprueba el Reglamento sobre Protección Sanitaria contra Radiaciones Ionizantes, BOE nº178, 26 de julio de 2001,

Real Decreto 1836/1999, de 3 de Diciembre, por el que se aprueba el Reglamento sobre Instalaciones Nucleares y Radiactivas, BOE nº312, 31 de diciembre de 1999,

Real Decreto 35/2008, de 18 de enero, por el que se modifica el Real Decreto 1836/1999, de 3 de Diciembre, por el que se aprueba el Reglamento sobre Instalaciones Nucleares y Radiactivas, BOE nº42, 18 de febrero de 2008,

Ortega Aramburu X., **Radiaciones ionizantes. Utilización y riesgos I y II**, Ediciones UPC, Barcelona, 2001,

Recomendacións

Materias que se recomienda cursar simultaneamente

(*)/

DATOS IDENTIFICATIVOS				
Obtención e Aplicación de Anticorpos Monoclonais				
Materia	Obtención e Aplicación de Anticorpos Monoclonais			
Código	V02M105V01112			
Titulación	Máster Universitario en Metodoloxía e Aplicacións en Bioloxía Molecular			
Descritores	Creditos ECTS	Sinale	Curso	Cuadrimestre
	4	OP	1	1c
Lingua de impartición	Castelán			
Departamento	Dpto. Externo			
Coordinador/a	Magadán Momo, Susana			
Profesorado	Magadán Momo, Susana			
Correo-e	susana.magadan@gmail.com			
Web	http://http://cvida.uvigo.es/			
Descrición xeral	Los anticuerpos monoclonales están siendo utilizados en investigación biomédica básica, en diagnóstico y terapia de diferentes enfermedades. En la actualidad se han convertido en una herramienta básica utilizada en muchas investigaciones de diferentes áreas. Así, en este curso se abordan tanto los aspectos básicos relacionados con la obtención y aplicación de los anticuerpos monoclonales.			

Competencias de titulación

Código	
A5	Diseñar estudios basados en la purificación e identificación de proteínas
A7	Utilizar anticuerpos en diagnóstico y terapia. Participar como biólogo en el desarrollo de nanovacunas o en el estudio de biocompatibilidad de nanoestructuras

Competencias de materia

Resultados previstos na materia	Tipoloxía	Resultados de Formación e Aprendizaxe
☐ Valorar las diferencias entre anticuerpos monoclonales y policlonales, tanto en el método de obtención, como en las posibles aplicaciones	saber	A7
☐ Capacidad para desarrollar la metodología básica de producción de anticuerpos Monoclonales de Ratón mediante la obtención de hibridomas	saber hacer	A7
☐ Conocer las aplicaciones de los Anticuerpos Monoclonales en diferentes áreas científicas.	saber	A7
☐ Conocer y entender los diferentes métodos de modificación de los anticuerpos monoclonales para su uso en terapia humana	saber	A5 A7

Contidos

Tema	
Introducción histórica y conceptos generales	Conceptos generales sobre el uso de los anticuerpos a lo largo de la historia. Revisión de conceptos básicos con los anticuerpos, antígenos y respuesta inmune
Inmunización	Aspectos a tener en cuenta en la inmunización: tipos de antígeno (células, proteínas, péptidos, haptenos); tipos de adyuvantes; uso de animales y vías de inmunización. Test de los sueros. La inmunización in vitro como método alternativo
Anticuerpos monoclonales versus policlonales	Diferencias entre anticuerpos monoclonales y policlonales en relación a la obtención y aplicación
Obtención anticuerpos monoclonales paso a paso	Selección de líneas de mieloma a utilizar, fusión y obtención de hibridomas (protocolo a seguir), métodos de screening, clonación de hibridomas secretores (agar y dilución límite); congelación y propagación de los hibridomas a pequeña, media y gran escala. Métodos de purificación y conservación de anticuerpos.
Obtención de anticuerpos de segunda generación y uso de fagos	Obtención de anticuerpos recombinantes, humanizados y anticuerpos monoclonales humanos. Uso de fagos (scFV y Fabs) y obtención de nanobodies.

Aplicación de los anticuerpos monoclonales en el laboratorio	Uso de los anticuerpos monoclonales en técnicas de diagnóstico. Detección de toxinas, drogas. Aplicación de los anticuerpos monoclonales en campos diferentes a la medicina.
Anticuerpos monoclonales en terapia humana	Introducción histórica del uso de anticuerpos en terapia. Problemas en relación al uso de anticuerpos murinos. Mecanismos de acción de los anticuerpos. Posibles modificaciones que mejoran la vida media del anticuerpo y su efectividad.

Planificación

	Horas en aula	Horas fuera de aula	Horas totales
Prácticas de laboratorio	15	30	45
Tutoría en grupo	4	5	9
Presentaciones/exposiciones	1	10	11
Sesión magistral	15	20	35

*Los datos que aparecen en la tabla de planificación son de carácter orientador, considerando la heterogeneidad del alumnado.

Metodología docente

	Descripción
Prácticas de laboratorio	En las sesiones prácticas los alumnos desarrollarán protocolos básicos para la obtención de Anticuerpos Monoclonales mediante fusión de células de bazo murinas con células de mieloma, posterior screening y clonación.
Tutoría en grupo	Antes de comenzar las sesiones se dedicará tiempo para aclarar posibles dudas que vayan surgiendo y realizar una valoración crítica de los contenidos tratados.
Presentaciones/exposiciones	Al principio del curso los alumnos escogerán un tema relacionado con el curso, tras la búsqueda crítica de publicaciones internacionales relacionadas con el tema, seleccionarán como máximo 3 artículos y elaborarán un seminario, que será presentado y discutido durante el transcurso de las clases teóricas.
Sesión magistral	Tienen como objetivo informar y orientar al alumno en los temas señalados en el apartado de contenidos. Serán utilizados diferentes medios audiovisuales.

Atención personalizada

Metodologías	Descripción
Sesión magistral	La atención personalizada se llevará a cabo directamente en las sesiones teóricas y prácticas, a través de consultas directas que realice el alumnado. También se le ofrecerá al alumnado un email para que puedan realizar sus consultas, así como se establecerá un horario para posibles consultas presenciales.
Prácticas de laboratorio	La atención personalizada se llevará a cabo directamente en las sesiones teóricas y prácticas, a través de consultas directas que realice el alumnado. También se le ofrecerá al alumnado un email para que puedan realizar sus consultas, así como se establecerá un horario para posibles consultas presenciales.
Presentaciones/exposiciones	La atención personalizada se llevará a cabo directamente en las sesiones teóricas y prácticas, a través de consultas directas que realice el alumnado. También se le ofrecerá al alumnado un email para que puedan realizar sus consultas, así como se establecerá un horario para posibles consultas presenciales.
Tutoría en grupo	La atención personalizada se llevará a cabo directamente en las sesiones teóricas y prácticas, a través de consultas directas que realice el alumnado. También se le ofrecerá al alumnado un email para que puedan realizar sus consultas, así como se establecerá un horario para posibles consultas presenciales.

Evaluación

	Descripción	Cualificación
Prácticas de laboratorio	El alumno entregará un informe de las prácticas realizadas en el que explique la metodología utilizada y discuta los resultados obtenidos	Supondrá un 25% de la nota final
Presentaciones/exposiciones	Se valorará el trabajo presentado así como la capacidad de discusión.	Supondrá el 25% de la nota final
Sesión magistral	Se realizará un examen de preguntas cortas	Supondrá un 40% de la nota final

Otros comentarios sobre la Evaluación

Bibliografía. Fuentes de información

Diferentes autores, □ **Anticuerpos Monoclonales, realidades y perspectivas.**, Ed. Complutense 2004,
Harlow and David Lane, □ **Antibodies, A laboratory manual**, 1988,
Harlow and David Lane, □ **Using Antibodies, A laboratory manual**, 1998,

Recomendacións

Materias que se recomienda cursar simultaneamente

Inmunonanotecnología/V02M105V01109

DATOS IDENTIFICATIVOS				
Avances Metodolóxicos (Modelización) en Inmunoloxía Básica				
Materia	Avances Metodolóxicos (Modelización) en Inmunoloxía Básica			
Código	V02M105V01113			
Titulación	Máster Universitario en Metodoloxía e Aplicacións en Biología Molecular			
Descritores	Creditos ECTS 3	Sinale OP	Curso 1	Cuadrimestre 1c
Lingua de impartición	Castelán Galego Inglés			
Departamento	Bioquímica, xenética e inmunoloxía			
Coordinador/a	Faro Rivas, Jose Manuel			
Profesorado	Faro Rivas, Jose Manuel			
Correo-e				
Web	http://http://cvida.uvigo.es/			
Descrición xeral	En este curso se describirán los aspectos y problemas actuales más relevantes de la actividad básica del sistema inmune: selección del repertorio de linfocitos B y T durante su diferenciación, diversidad del repertorio maduro, regulación de la respuesta inmune, maduración de la afinidad de anticuerpos, dinámica de poblaciones de linfocitos y tolerancia a lo propio. Se hará especial hincapié en la investigación desarrollada en el grupo, ampliado por alguna exposición de separatas. Se combinarán clases teóricas, exhibición de vídeos científicos y demostraciones de ejemplos prácticos de modelización por ordenador. Los alumnos harán una presentación oral de un trabajo basado en un artículo científico de interés histórico o actual. La evaluación reflejará el seguimiento de asistencia a clase, participación, y preparación y presentación del trabajo oral, así como de un trabajo escrito por parte del alumno.			

Competencias de titulación	
Código	
A17	Aprender a diseñar, analizar y exponer un trabajo de investigación
A19	Conocer métodos de modelización computacional para el análisis de distintos procesos de la actividad del sistema inmunitario

Competencias de materia		
Resultados previstos na materia	Tipoloxía	Resultados de Formación e Aprendizaxe
El alumno adquirirá conocimientos y formación en los métodos usados actualmente para analizar mediante modelos de dinámica de poblaciones distintos procesos de la actividad del sistema inmunitario.	saber saber facer	A19
El alumno adquirirá formación en la búsqueda y análisis crítico de fuentes bibliográficas.	saber facer	A17
El alumno adquirirá práctica en la preparación de un trabajo o un proyecto científico, en la presentación de éste en publico y en la consiguiente discusión crítica sobre distintos aspectos técnicos o conceptuales del trabajo o proyecto.	saber facer Saber estar / ser	A17

Contidos	
Tema	
1.Ontogenia de linfocitos B y T.	Generación de linfocitos B en la médula ósea y de linfocitos T en el timo. Métodos teórico-experimentales recientes para el análisis de las bases antigénicas de la selección de timocitos durante su diferenciación en el timo.
2. Diversidad del repertorio maduro de linfocitos T.	Métodos teórico-experimentales actuales para la estimación del repertorio clonal de linfocitos T.
3. Regulación de la respuesta inmune.	Linfocitos T reguladores. Hipótesis actuales sobre los mecanismos de supresión. Métodos de estudio emergentes mediante modelización teórico-experimental.

4. Maduración de la afinidad de anticuerpos.	Reacción de centro germinal: 1) proliferación e hipermutación de linfocitos B específicos de antígeno, 2) diferenciación en linfocitos B de memoria o en células plasmáticas de larga vida. Métodos de estudio mediante inmunohistología. Uso del microscopio confocal y del microscopio multifotónico. Modelización de la reacción de centro germinal. El problema de la selección de linfocitos B mutantes. Papel de los linfocitos T.
5. Dinámica de poblaciones y respuesta inmunitaria a virus.	Métodos teórico-experimentales en el estudio de la respuesta inmunitaria al Virus de Inmunodeficiencia Humana, Virus de Hepatitis C, etc.

Planificación			
	Horas na aula	Horas fóra da aula	Horas totais
Seminarios	4	4	8
Presentacións/exposicións	4	4	8
Sesión maxistral	17	17	34
Traballos e proxectos	0	25	25

*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientador, considerando a heteroxeneidade do alumnado.

Metodoloxía docente	
	Descrición
Seminarios	Presentación y discusión crítica de un artículo científico.
Presentacións/exposicións	Presentación de un trabajo-propuesta de proyecto científico dentro del ámbito de la materia del curso.
Sesión maxistral	Sesiones teóricas donde se plantean los conocimientos necesarios para aprender las competencias previstas.

Atención personalizada	
Metodoloxías	Descrición
Sesión maxistral	Los alumnos podrán consultar al profesor cuestiones generales o específicas relacionadas con la materia del curso, con los seminarios y con el trabajo-proyecto de investigación, tras fijar con él la hora de reunión.
Seminarios	Los alumnos podrán consultar al profesor cuestiones generales o específicas relacionadas con la materia del curso, con los seminarios y con el trabajo-proyecto de investigación, tras fijar con él la hora de reunión.
Presentacións/exposicións	Los alumnos podrán consultar al profesor cuestiones generales o específicas relacionadas con la materia del curso, con los seminarios y con el trabajo-proyecto de investigación, tras fijar con él la hora de reunión.
Probas	Descrición
Traballos e proxectos	Los alumnos podrán consultar al profesor cuestiones generales o específicas relacionadas con la materia del curso, con los seminarios y con el trabajo-proyecto de investigación, tras fijar con él la hora de reunión.

Avaliación		
	Descrición	Cualificación
Seminarios	Los alumnos elegirán una publicación científica relacionada con el contenido de la materia del curso, y la expondrán de modo crítico en público. Se evaluará la comprensión y la claridad expositiva y de argumentación.	25 de la nota
Presentacións/exposicións	Los alumnos presentarán en público un pequeño proyecto de investigación.	25% de la nota
Sesión maxistral	Se evaluará la asistencia.	APTO NO APTO
Traballos e proxectos	Los alumnos realizarán de modo individual un proyecto de investigación sobre un tema relacionado con la materia del curso.	50 de la nota

Outros comentarios sobre a Avaliación

Bibliografía. Fontes de información	
Tak W. Mak and Mary Saunders, The Immune Response: Basic And Clinical Principles , 2006,	
William R. Clark, The Experimental Foundation of Modern Immunology , 1991,	
Dominik Wodarz, Killer Cell Dynamics: Mathematical and Computational Approaches to Immunology , 2006,	
varios autores, Quantitative Modeling of Immune Responses. Immunological Reviews , vol. 216, 2007,	
Rob J. de Boer, Theoretical Immunology , 2009,	

Recomendacións

Materias que se recomenda ter cursado previamente

O Método Científico en Bioloxía/V02M105V01202

DATOS IDENTIFICATIVOS				
Análise Filoxenética				
Materia	Análise Filoxenética			
Código	V02M105V01114			
Titulación	Máster Universitario en Metodoloxía e Aplicacións en Bioloxía Molecular			
Descritores	Creditos ECTS	Sinale	Curso	Cuadrimestre
	4	OP	1	1c
Lingua de impartición	Castelán			
Departamento	Bioquímica, xenética e inmunoloxía			
Coordinador/a	Posada Gonzalez, David			
Profesorado	Posada Gonzalez, David			
Correo-e	dposada@uvigo.es			
Web	http://http://cvida.uvigo.es/			
Descrición xeral	Este curso proporcionará las bases para entender los términos y conceptos fundamentales de la reconstrucción filogenética.			

Competencias de titulación	
Código	
A1	Capacidad para interpretar árboles filogenéticos y utilizarlos para el contraste de hipótesis biológicas
A12	Realizar análisis estándar de genomas y evolución molecular y/o diseñar y programar sus propios análisis adaptados a sus necesidades
A13	Tratar estadísticamente datos experimentales en Biología molecular

Competencias de materia		
Resultados previstos na materia	Tipoloxía	Resultados de Formación e Aprendizaxe
Entendimiento de los términos y conceptos fundamentales de la filogenética.	saber	A1
Compresión de la representación gráfica y textual de los árboles filogenéticos.	saber	A1
Conocimiento de las ventajas y desventajas de los distintos métodos filogenéticos.	saber	A1
Interpretación de árboles filogenéticos.	saber saber facer	A1
Uso de árboles para el contraste de hipótesis biológicas.	saber	A1
	saber facer	A12
		A13
Aprendizaje de herramientas bioinformáticas para el análisis filogenético.	saber	A1
	saber facer	A12
		A13

Contidos	
Tema	
Introducción a la filogenética	Árboles filogenéticos. Enraizamiento. Monofilia y polifilia. Caracteres y estados. Homología y homoplasia. Ortología y paralogía. Usos de las filogenias
Alineamiento de secuencias	Sustitución, inserción y delección. Alineamiento múltiple. Formatos de alineamiento. Programas de alineamiento. Filtrado de alineamientos.
Modelos de evolución molecular	Saturación. Probabilidad de cambio. Modelos de sustitución nucleotídica. Test de las razones de verosimilitudes. Criterio de información de Akaike. Selección Bayesiana. Inferencia multimodelo.
Métodos filogenéticos	Caracteres vs. distancias. Algoritmos y optimalidad. Paisajes de árboles. Búsquedas exactas y aproximadas. Intercambios topológicos. Árboles consenso.
Máxima parsimonia	Criterio de parsimonia. Reconstrucción de estados ancestrales Índices de consistencia. Atracción de las ramas largas.
Métodos de distancias	Distancias filéticas. Aditividad y ultrametricidad. Criterio de Fitch-Margoliash. Mínima evolución. Métodos algorítmicos: UPGMA y NJ.

Máxima verosimilitud	Concepto de verosimilitud. Cálculo de la verosimilitud en árboles. Reconstrucción de estados ancestrales. Diferencias entre parsimonia y verosimilitud.
Inferencia Bayesiana	Probabilidades a priori y a posteriori. Teorema de Bayes. Inferencia marginal. Cadenas de Markov de Monte Carlo (MCMC). Muestreo y convergencia.
Contrastes filogenéticos	Error y confianza filogenética. Bootstrap no paramétrico. Comparación de topologías. Reloj molecular.

Metodología docente	
	Descripción
Sesión maxistral	El profesor expondrá conceptos básicos, algoritmos, ejemplos, aplicaciones, etc
Prácticas autónomas a través de TIC	El alumno analizará secuencias de ADN usando diferentes programas y respondiendo a diversas cuestiones. Se darán instrucciones precisas y detalladas a partir de una página web con los enlaces necesarios.
Foros de discusión	El alumno y el profesor podran intercambiar información sobre cualquier actividad de la materia (dudas, problemas, ejercicios, etc)

Avaliación		
	Descrición	Cualificación
Prácticas autónomas a través de TIC	Las prácticas se desenvolverán de forma no presencial a partir de la páxina web do curso, con axuda do profesor. Se valorará a realización dos pasos requiridos, as solucións e as contestacións a las tarefas e preguntas.	50
Foros de discusión	Se valorará a participación activa do alumno en clase e no foro: preguntas, cuestións, respostas, dúbidas, interese xerará.	20
Probas de resposta curta	Se realizará un exame no presencial con cuestións conceptuais ou metodolóxicas	30

Bibliografía. Fontes de información

Vandamme AM, Salemi M, Lemey P (eds). 2010. The Phylogenetic Handbook, 2nd Edition. Cambridge University Press. *Un libro muy práctico a un nivel muy asequible con ejemplos prácticos para trabajar. Muy recomendable.*

Swofford D. 1996. Capítulo 11 en el libro "Molecular Systematics, Second Edition. 1996. Hillis, D. M., C. Moritz, and B. K. Mable (eds.). Sinauer Associates". *Un capítulo excelente sobre metodología filogenética. El capítulo 12 de este libro trata de las aplicaciones de las filogenias.*

Recomendacións

Materias que continúan o temario

A Pegada Molecular da Selección Natural/V02M105V01119

Metodoloxía para a análise da Evolución Molecular Usando o Paquete de Software HYPHY e a súa Linguaxe de Programación/V02M105V01116

Materias que se recomenda cursar simultaneamente

Análise Computacional de Xenomas/V02M105V01120

Outros comentarios

La carga no presencial es importante y muy exigente. No se recomienda realizar demasiados cursos de manera simultánea.

DATOS IDENTIFICATIVOS				
Introducción á PCR Cuantitativa en Tempo Real				
Materia	Introducción á PCR Cuantitativa en Tempo Real			
Código	V02M105V01115			
Titulación	Máster Universitario en Metodoloxía e Aplicacións en Bioloxía Molecular			
Descritores	Creditos ECTS	Sinale	Curso	Cuadrimestre
	3	OP	1	1c
Lingua de impartición	Castelán			
Departamento	Bioloxía vexetal e ciencias do solo			
Coordinador/a	Rey Fraile, Manuel Angel			
Profesorado	Rey Fraile, Manuel Angel			
Correo-e	mrey@uvigo.es			
Web	http://cvida.uvigo.es/			
Descrición xeral	Este curso proporcionará un coñecemento sobre os fundamentos da técnica da PCR (reacción en cadea de la polimerasa) en tempo real			

Competencias de titulación

Código	
A8	Aplicar a técnica da PCR e a secuenciación en estudos evolutivos e de bioloxía molecular

Competencias de materia

Resultados previstos na materia	Tipoloxía	Resultados de Formación e Aprendizaxe
(*)Coñecemento do fundamento da técnica da PCR (reacción en cadea de la polimerasa) en tempo real, de su característica cuantitativa, sus técnicas alternativas, aplicaciónes e modelos matemáticos de cuantificación.	saber saber facer	A8

Contidos

Tema
(*)1. Concepto da PCR en tempo real: ¿por qué es cuantitativa?
(*)2. Instrumentación para PCR cuantitativa en tempo real
(*)3. Química da detección de secuencias de ácidos nucleicos en la PCR en tempo real
(*)4. Aplicaciónes básicas da PCR en tempo real
(*)5. Utilidades da PCR en tempo real en el laboratorio
(*)6. Aplicaciónes matemáticas utilizadas para la cuantificación a partir de datos de PCR cuantitativa en tempo real

Planificación

	Horas na aula	Horas fóra da aula	Horas totais
Seminarios	2	3	5
Resolución de problemas e/ou exercicios	1.5	15	16.5
Sesión maxistral	16	32	48
Informes/memorias de prácticas	0.5	5	5.5

*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientador, considerando a heteroxeneidade do alumnado.

Metodoloxía docente

Descrición

Seminarios	(*)Se llevará a cabo un seminario demostrativo en el laboratorio de una máquina de PCR en tiempo real con algunas demostraciones para mostrar aplicaciones de esta técnica.
Resolución de problemas e/ou ejercicios	(*)Planteamiento y realización por parte de los alumnos de una simulación de cálculos de expresión génica relativa y/o absoluta a partir de datos de fluorescencia obtenidos en una máquina de PCR en tiempo real y proporcionados por el profesor.
Sesión maxistral	(*)Sesiones teóricas donde se plantean los conocimientos necesarios para aprender las competencias propias de la materia (fundamentos de la técnica estudiada y principales aplicaciones) y las transversales previstas.

Atención personalizada

Avaliación

	Descripción	Cualificación
Informes/memorias de prácticas	(*)Evaluación mediante la entrega de trabajos donde se reflejen los resultados obtenidos en las simulaciones de cálculos de expresión génica propuestas por el profesor.	Sistema de calificaciones: se expresará mediante calificación final numérica de 0 a 10 según la legislación vigente (Real Decreto 1125/2003 de 5 de septiembre; BOE 18 de septiembre)

Otros comentarios sobre a Avaliación

Bibliografía. Fontes de información

Recomendacións

Materias que se recomienda cursar simultaneamente

(*)/

DATOS IDENTIFICATIVOS**Metodoloxía para a análise da Evolución Molecular Usando o Paquete de Software HYPHY e a súa Linguaxe de Programación**

Materia	Metodoloxía para a análise da Evolución Molecular Usando o Paquete de Software HYPHY e a súa Linguaxe de Programación			
Código	V02M105V01116			
Titulación	Máster Universitario en Metodoloxía e Aplicacións en Bioloxía Molecular			
Descritores	Creditos ECTS	Sinale	Curso	Cuadrimestre
	4	OP	1	1c
Lingua de impartición	Castelán			
Departamento	Bioquímica, xenética e inmunoloxía			
Coordinador/a	Carvajal Rodríguez, Antonio			
Profesorado	Carvajal Rodríguez, Antonio			
Correo-e	acraaj@uvigo.es			
Web	http://http://cvida.uvigo.es/			
Descrición xeral	Hyphy es un programa y también un lenguaje de programación de alto nivel para realizar análisis de evolución molecular. Hyphy proporciona una plataforma flexible para estudiar tasas y patrones de cambio en secuencias de ADN.			

Competencias de titulación

Código	
A12	Realizar análisis estándar de genomas y evolución molecular y/o diseñar y programar sus propios análisis adaptados a sus necesidades
A13	Tratar estadísticamente datos experimentales en Biología molecular

Competencias de materia

Resultados previstos na materia	Tipoloxía	Resultados de Formación e Aprendizaxe
1. Manejo del programa Hyphy que permitirá al alumno realizar diferentes análisis estándar de evolución molecular (reloj molecular, detección de selección, etc).	saber facer	A12 A13
2. Aprender nociones de programación en el lenguaje Hyphy	saber facer	A12 A13
3. Capacidad de diseño de sus propios análisis adaptados a sus necesidades (por ejemplo: automatizar, calcular estadísticos, realizar diferentes contrastes sobre los análisis estándar en evolución molecular).	saber	A12 A13

Contidos

Tema	
Tema 1. Manejo de secuencias de ADN en Hyphy	1.1.- Instalación de Hyphy 1.2.- Ficheros de datos. Cálculo de la verosimilitud. 1.3.- Filtrado de datos (particiones y pautas de lectura) 1.4.- Cálculo de un árbol filogenético 1.5.- Selección de un modelo evolutivo
Tema 2. Contraste de hipótesis usando particiones múltiples	2.1.- Partición de los datos según posiciones de codón 2.2.- Contraste de hipótesis. Test de razón de verosimilitudes. 2.3.- Definición de un modelo de codones
Tema 3. Test del reloj molecular	3.1.- El reloj molecular 3.2. Test global de reloj molecular 3.3.- Test local de reloj molecular sobre la integrasa del HIV-1
Tema 4. Análisis de recombinación y selección	4.1.- Detección de recombinación 4.2.- Detección de selección 4.3 - Detección de selección en presencia de recombinación

Planificación

	Horas na aula	Horas fóra da aula	Horas totais
Estudo de casos/análises de situacións	25	45	70
Resolución de problemas e/ou exercicios	10	19	29
Probas de tipo test	1	0	1

*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientador, considerando a heteroxeneidade do alumnado.

Metodoloxía docente

	Descrición
Estudo de casos/análises de situacións	Realización de una actividad diseñada para poner en práctica los conocimientos adquiridos sobre alguno de los temas estudiados. Para trabajar esta actividad es imprescindible la lectura previa del correspondiente apartado del curso y la bibliografía recomendada en el mismo. Se tratará de analizar un problema con secuencias o datos reales.
Resolución de problemas e/ou exercicios	Actividad en la que se formulan problemas y/o ejercicios relacionados con la materia. El alumno debe desarrollar las soluciones adecuadas o correctas mediante los métodos desarrollados en la clase presencial.

Atención personalizada

Metodoloxías	Descrición
Resolución de problemas e/ou exercicios	Los alumnos serán atendidos tanto en clase como personalmente respecto de cualquier duda que les pudiese surgir.
Estudo de casos/análises de situacións	Los alumnos serán atendidos tanto en clase como personalmente respecto de cualquier duda que les pudiese surgir.
Probas	Descrición
Probas de tipo test	Los alumnos serán atendidos tanto en clase como personalmente respecto de cualquier duda que les pudiese surgir.

Avaliación

	Descrición	Cualificación
Estudo de casos/análises de situacións	El alumno analizará un caso de datos real o simulado.	60%
Resolución de problemas e/ou exercicios	El alumno debe solucionar una serie de problemas o ejercicios aplicando los conocimientos adquiridos. Presencial y no presencial.	35%
Probas de tipo test	Los alumnos seleccionan una respuesta entre un número limitado de posibilidades.	5%

Outros comentarios sobre a Avaliación**Bibliografía. Fontes de información**

Pond, S. L. K., and S. V. Muse, **HyPhy: hypothesis testing using phylogenies**. Manual de uso de Hyphy, Kosakovsky Pond, S. L., and S. D. Frost., **Not so different after all: a comparison of methods for detecting amino acid sites under selection**, 2005,
 Pond, S. K., and S. V. Muse, **Site-to-site variation of synonymous substitution rates**, 2005,
 Pond, S. L. K., and S. D. W. Frost, **Datamonkey: rapid detection of selective pressure on individual sites of codon alignments**, 2005,
 Pond, S. L. K., S. D. W. Frost, and S. V. Muse, **HyPhy: hypothesis testing using phylogenies**, 2005,
 Felsenstein, J, **Inferring phylogenie**, 2004,
 Antonio Carvajal-Rodríguez, **Detecting recombination and diversifying selection in human alpha-papillomavirus**, 2008,

Recomendacións**Materias que se recomenda cursar simultaneamente**

(*)/

DATOS IDENTIFICATIVOS				
Técnicas Xenéticas Aplicadas á Xestión de Stocks Pesqueiros				
Materia	Técnicas Xenéticas Aplicadas á Xestión de Stocks Pesqueiros			
Código	V02M105V01117			
Titulación	Máster Universitario en Metodoloxía e Aplicacións en Biología Molecular			
Descritores	Creditos ECTS	Sinale	Curso	Cuadrimestre
	4	OP	1	1c
Lingua de impartición	Castelán			
Departamento	Bioquímica, xenética e inmunoloxía			
Coordinador/a	Presa Martinez, Pablo			
Profesorado	Presa Martinez, Pablo			
Correo-e	presa@uvigo.es			
Web	http://http://cvida.uvigo.es/			
Descrición xeral	El curso Explora la potencialidad de diversas herramientas genéticas para el manejo de poblaciones marinas explotadas			
Competencias de titulación				
Código				
A2	Conocer las técnicas de obtención, registro, procesado, validación y transferencia de datos genéticos para la gestión genética de los recursos marinos			
Competencias de materia				
Resultados previstos na materia			Tipoloxía	Resultados de Formación e Aprendizaxe
Adquirir un conocimiento técnico preciso del estado actual del desarrollo técnico para la saber gestión genética de los recursos marinos.				A2
Identificar las técnicas de obtención de datos genéticos moleculares			saber	A2
Conocer las técnicas de registro, procesado, validación y transferencia de datos genéticos			saber	A2
Manejar paquetes bioinformáticos específicos para el tratamiento e interpretación de la variabilidad genética de los recursos marinos			saber facer	A2
Saber enfocar el tratamiento estadístico de los datos			saber facer	A2
Saber efectuar el tratamiento genético poblacional			saber facer	A2
Saber interpretarlas limitaciones de los tratamientos filogenéticos			saber facer	A2
Contidos				
Tema				
1. CONTENIDO CONCEPTUAL		1.1. Avances genéticos en gestión de pesquerías: técnicas, estado de aplicación y ejemplos 1.2. Avances genéticos en acuicultura: técnicas, estado de aplicación y ejemplos 1.3. Conceptos en gestión genética: definiciones genéticas, objetivos perseguibles en gestión, parámetros estimables experimentalmente, implicaciones económicas, sociales y ambientales de la gestión genética de recursos marinos.		
2. CONTENIDO APLICABLE		2.1. Estrategias de obtención y registro de datos genéticos, procesado ofimático de los datos, y test de validación de datos. 2.2 Algoritmos y tests sobre estimas de diversidad genética. 2.3. Algoritmos y tests de estructuración poblacional 2.4. Algoritmos y tests de inferencia filogenética 2.5. Algoritmos y tests de asignación y exclusión individual y poblacional 2.6. Algoritmos y tests para la trazabilidad alimentaria		
Planificación				

	Horas na aula	Horas fóra da aula	Horas totais
Sesión maxistral	10	20	30
Obradoiros	5	20	25
Presentacións/exposicións	2	8	10
Debates	1	1	2
Resolución de problemas e/ou exercicios	3	12	15
Traballos de aula	3	12	15
Estudo de casos/análise de situacións	1	2	3

*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientador, considerando a heteroxeneidade do alumnado.

Metodoloxía docente

	Descrición
Sesión maxistral	Contextualización Presentación conceptual Cuerpo referencial de consulta Actividad programática
Obradoiros	Presentación de casos Enfoque de estrategia analítica Desarrollo de análisis Interpretación y discusión
Presentacións/exposicións	Estructura de la presentación Organización de materiales Orden expositivo Defensa expositiva
Debates	Actividad divulgativa Actualidad científica Generación de discrepancias Consenso y síntesis
Resolución de problemas e/ou exercicios	Soporte conceptual Casos paradigmáticos Resolución guiada Discusión de implicaciones
Traballos de aula	Definición del objeto de trabajo Organización de los equipos Estrategia de análisis Desarrollo analítico Exposición y defensa

Atención personalizada

Metodoloxías	Descrición
Sesión maxistral	Feedback de flujo presencial continuo Identificación del nivel previo Identificación del nivel comprensivo Identificación de limitaciones y dificultades de aprendizaje Atención individual en desarrollos con dificultad
Obradoiros	Feedback de flujo presencial continuo Identificación del nivel previo Identificación del nivel comprensivo Identificación de limitaciones y dificultades de aprendizaje Atención individual en desarrollos con dificultad
Presentacións/exposicións	Feedback de flujo presencial continuo Identificación del nivel previo Identificación del nivel comprensivo Identificación de limitaciones y dificultades de aprendizaje Atención individual en desarrollos con dificultad
Debates	Feedback de flujo presencial continuo Identificación del nivel previo Identificación del nivel comprensivo Identificación de limitaciones y dificultades de aprendizaje Atención individual en desarrollos con dificultad
Resolución de problemas e/ou exercicios	Feedback de flujo presencial continuo Identificación del nivel previo Identificación del nivel comprensivo Identificación de limitaciones y dificultades de aprendizaje Atención individual en desarrollos con dificultad
Traballos de aula	Feedback de flujo presencial continuo Identificación del nivel previo Identificación del nivel comprensivo Identificación de limitaciones y dificultades de aprendizaje Atención individual en desarrollos con dificultad
Probas	Descrición
Estudo de casos/análise de situacións	Feedback de flujo presencial continuo Identificación del nivel previo Identificación del nivel comprensivo Identificación de limitaciones y dificultades de aprendizaje Atención individual en desarrollos con dificultad

Avaliación		
	Descrición	Cualificación
Sesión maxistral	Asistencia Atención Participación Interés	10
Obradoiros	Asistencia Cooperación Rapidez Concentración	10
Presentacións/exposicións	Esfuerzo personal Superación de autolimitacións Capacidade comunicativa Capacidade transmisora Orden, claridad y apertura	10
Debates	Participación activa Capacidade de diálogo Identificación de alternativas	10
Resolución de problemas e/ou exercicios	Interpretación de enunciados Planteamiento de solucións Razonamiento de resultados	20
Traballos de aula	Capacidade organizativa Capacidade resolutiva Capacidade comunicativa Capacidade de síntesis	20
Estudo de casos/análise de situacións	Capacidade de análise Capacidade integradora Capacidade interpretativa	20

Outros comentarios sobre a Avaliación

Bibliografía. Fontes de información

TR McClanahan and JC Castilla (Eds.), **Fisheries management: progress toward sustainability**, Blackwell Pub. Oxford (United Kingdom),

T J Pandian, CA Strussmann, M P Marian (Eds.), **Fish Genetics And Aquaculture Biotechnology**, Science Publishers, Inc. New Hampshire U.S.A.,

C Greg Lutz (Eds.), **Practical Genetics for Aquaculture**, Blackwell Science Ltd. Oxford (United Kingdom),

Mustafa (Ed.), **Genetics in sustainable fisheries management**, Fishing News Books. London (United Kingdom),

AR Beaumont, K Hoare, (Eds.), **Biotechnology and Genetics in Fisheries and Aquaculture**, Blackwell Science Ltd. Oxford (United Kingdom),

N Shimizu, T Aoki, I Hirono, F Takashima, (Eds.), **Aquatic Genomics: Steps Toward a Great Future**, Springer-Verlag Tokyo (Hong Kong),

Recomendacións

DATOS IDENTIFICATIVOS				
Metodoloxía para o Estudo dos Glicoconjugados e as súas Alteracións				
Materia	Metodoloxía para o Estudo dos Glicoconjugados e as súas Alteracións			
Código	V02M105V01118			
Titulación	Máster Universitario en Metodoloxía e Aplicacións en Bioloxía Molecular			
Descritores	Creditos ECTS	Sinale	Curso	Cuadrimestre
	4	OP	1	2c
Lingua de impartición	Castelán			
Departamento	Bioquímica, xenética e inmunoloxía			
Coordinador/a	Martinez Zorzano, Vicenta Soledad			
Profesorado	Martinez Zorzano, Vicenta Soledad			
Correo-e	vzorzano@uvigo.es			
Web	http://http://cvida.uvigo.es/			
Descrición xeral	El objetivo de este curso es introducir al alumno en el mundo de los glicoconjugados. Se pretende que el alumno se familiarice con las técnicas utilizadas para el aislamiento, detección y cuantificación de los glicoconjugados, y que conozca la aplicación de estas técnicas para el análisis de las alteraciones de los glicoconjugados en diversas patologías humanas.			

Competencias de titulación

Código	
A5	Diseñar estudios basados en la purificación e identificación de proteínas
A14	Conocer la metodología básica para el análisis de glicoconjugados

Competencias de materia

Resultados previstos na materia	Tipoloxía	Resultados de Formación e Aprendizaxe
1. Conocimientos básicos sobre glicoconjugados	saber	A5
2. Comprensión de las alteraciones de los glicoconjugados en patologías humanas	saber facer	A14
3. Capacidad para el aislamiento y la detección de glicoconjugados		
4. Conocer la metodología básica para el análisis de glicoconjugados.		
(*)(*)		

Contidos

Tema
- Conocimientos sobre la estructura y el metabolismo de los glicoconjugados
- Conocimientos básicos sobre las alteraciones de los glicoconjugados en patologías humanas
- Técnicas de aislamiento y separación de glicoproteínas y glicolípidos
- Técnicas de detección y cuantificación de glicoproteínas y glicolípidos
- Inmunohistoquímica aplicada a la detección de glicoconjugados

Planificación

	Horas na aula	Horas fóra da aula	Horas totais
Sesión maxistral	10	25	35

Tutoría en grupo	3	0	3
Prácticas de laboratorio	20	40	60
Informes/memorias de prácticas	1	0	1
Probas de resposta curta	1	0	1

*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientador, considerando a heteroxeneidade do alumnado.

Metodoloxía docente

	Descrición
Sesión maxistral	Se impartirán diez horas presenciales y los alumnos tendrán que dedicar 25 horas de trabajo autónomo no presencial para adquirir los conocimientos necesarios sobre la estructura y metabolismo de los glicoconjugados (competencia 1) y sus alteraciones patológicas (competencia 2).
Tutoría en grupo	Se realizarán tres sesiones de tutoría, de una hora cada una, para que los alumnos planteen dudas y el profesor pueda orientarles en su trabajo autónomo.
Prácticas de laboratorio	Se realizarán 20 horas de prácticas en el laboratorio durante las cuales se llevarán a cabo las siguientes actividades para que los alumnos adquieran la competencia 3: -aislamiento de glicoproteínas mediante cromatografía de afinidad; - separación e identificación de glicolípidos mediante cromatografía en capa fina; - inmunodetección de gliconjugados usando lectinas específicas. Además, los alumnos tendrán que dedicar cuarenta horas de trabajo autónomo no presencial para la interpretación de resultados y la elaboración del informe final correspondiente.

Atención personalizada

Metodoloxías Descrición

Tutoría en grupo	Se realizarán tres sesiones de tutoría, de una hora cada una, para que los alumnos planteen dudas y el profesor pueda orientarles en su trabajo autónomo
------------------	--

Avaliación

	Descrición	Cualificación
Informes/memorias de prácticas	Se evaluará el informe escrito sobre la actividad desarrollada en las clases prácticas.	(75 calificación).
	Se evaluará también la exposición oral de un pequeño trabajo realizado por el alumno sobre algún aspecto relacionado con la temática del curso.	
Probas de resposta curta	Los conocimientos teóricos adquiridos se evaluarán mediante un examen escrito.	(25% calificación).

Outros comentarios sobre a Avaliación

Bibliografía. Fontes de información

Kates, M, **Techniques of lipidology. Isolation, analysis and identification of lipids**, 2nd revised edition. Elsevier, 1991.,

Roe, S, **Protein purification techniques. A practical approach**, 2nd ed. Oxford University Press, 2001,

Fukuda, M and Kobata, A, **Glycobiology. A practical approach.**, Oxford University Press, 1993.,

Taylor, M.E. and Drickamer, K., **Introduction to glycobiology**, 2nd Ed.Oxford University Press, 2006,

Recomendacións

Materias que se recomenda cursar simultaneamente

(*)/

Outros comentarios

DATOS IDENTIFICATIVOS				
A Pegada Molecular da Selección Natural				
Materia	A Pegada Molecular da Selección Natural			
Código	V02M105V01119			
Titulación	Máster Universitario en Metodoloxía e Aplicacións en Bioloxía Molecular			
Descritores	Creditos ECTS	Sinale	Curso	Cuadrimestre
	3	OP	1	1c
Lingua de impartición	Castelán			
Departamento	Bioquímica, xenética e inmunoloxía			
Coordinador/a	Quesada Rodríguez, Humberto Carlos			
Profesorado	Quesada Rodríguez, Humberto Carlos			
Correo-e	hquesada@uvigo.es			
Web	http://http://cvida.uvigo.es/			
Descrición xeral	El curso proporcionará un conocimiento de los principales métodos estadísticos que permiten detectar la huella de la selección natural sobre las secuencias de ADN a nivel intraespecífico e interespecífico.			

Competencias de titulación	
Código	
A12	Realizar análisis estándar de genomas y evolución molecular y/o diseñar y programar sus propios análisis adaptados a sus necesidades
A13	Tratar estadísticamente datos experimentales en Biología molecular

Competencias de materia		
Resultados previstos na materia	Tipoloxía	Resultados de Formación e Aprendizaxe
1. Conocimiento de los principales métodos estadísticos que permiten detectar la huella de la selección natural sobre las secuencias de ADN a nivel intraespecífico e interespecífico.	saber	A12
2. Manejo de los programas de ordenador más relevantes	saber facer	A13
3. Manejo de las principales bases de datos y herramientas de Internet relacionadas con el manejo y análisis de secuencias de ADN.		

Contidos	
Tema	
1. La hipótesis neutralista y las medidas de variación genética	La hipótesis neutralista de la evolución molecular. Genealogías génicas y coalescencia. La medida de la variación en secuencias de ADN.
2. Modelos de selección y tests de neutralidad.	El impacto de la selección natural sobre la variabilidad del genoma. Tests basados en la distribución de frecuencias alélicas. Tests basados en la relación entre polimorfismo y divergencia. Tests basados en la divergencia nucleotídica. Tests basados en la comparación de distintas categorías de posiciones nucleotídicas. Tests basados en el desequilibrio de ligamiento. Ejemplos de aplicaciones con datos reales.

Planificación			
	Horas na aula	Horas fóra da aula	Horas totais
Prácticas autónomas a través de TIC	15	20.1	35.1
Traballos tutelados	0	10	10
Sesión maxistral	10	20	30

*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientador, considerando a heteroxeneidade do alumnado.

Metodoloxía docente	
	Descrición

Prácticas autónomas a través de TIC	Los alumnos se adiestrarán en el manejo de los programas y herramientas de Internet más relevantes, donde deberán responder a un cuestionario en el que se le plantearán preguntas relativas a la utilidad de los métodos utilizados y la interpretación de los resultados obtenidos con datos reales. El profesor orienta y resuelve dudas.
Trabajos tutelados	Los alumnos elaborarán una memoria escrita comentando de forma crítica un trabajo de investigación.
Sesión maxistral	El profesor explica los contenidos teóricos de cada tema. Se suministrarán amplios esquemas de la materia y una bibliografía específica a fin de que el alumno pueda profundizar en los distintos temas. El estudiante asimila y anota conceptos. Plantea dudas y cuestiones.

Atención personalizada

Metodologías	Descripción
Trabajos tutelados	El profesor supervisará de forma individualizada las prácticas de ordenador y la elaboración por parte de los alumnos de la memoria escrita sobre un trabajo de investigación.
Prácticas autónomas a través de TIC	El profesor supervisará de forma individualizada las prácticas de ordenador y la elaboración por parte de los alumnos de la memoria escrita sobre un trabajo de investigación.

Avaliación

	Descripción	Cualificación
Prácticas autónomas a través de TIC	Se evaluarán las respuestas a un cuestionario en el que se le plantearán preguntas relativas a la utilidad de los métodos utilizados y la interpretación de los resultados obtenidos con datos reales.	0-10
Trabajos tutelados	Se valorará la memoria escrita referente a un trabajo de investigación.	0-10
Sesión maxistral	Se evaluará la asistencia a clase y el aprovechamiento por parte de los alumnos.	0-10

Outros comentarios sobre a Avaliación

Bibliografía. Fontes de información

- Bamshad M. y Wooding S. P., **Signatures of natural selection in the human genome**, 2003,
- Jensen J.D., Wong A., Aquadro C.F., **Approaches for identifying targets of positive selection**, 2007,
- Jensen J.D., Thornton K.R. y Aquadro C.F., **Inferring selection in partially sequenced regions**, 2008,
- Nachman M. W., **Detecting selection at the molecular level**, 2006,
- Nielsen R., **Molecular signatures of natural selection**, 2005,
- Biswas S. y Akey M.J., **Genomic insights into positive selection**, 2006,

Recomendacións

DATOS IDENTIFICATIVOS				
Análise Computacional de Xenomas				
Materia	Análise Computacional de Xenomas			
Código	V02M105V01120			
Titulación	Máster Universitario en Metodoloxía e Aplicacións en Bioloxía Molecular			
Descritores	Creditos ECTS	Sinale	Curso	Cuadrimestre
	3	OP	1	1c
Lingua de impartición	Castelán			
Departamento	Bioquímica, xenética e inmunoloxía			
Coordinador/a	Canchaya Sánchez, Carlos Alberto			
Profesorado	Canchaya Sánchez, Carlos Alberto			
Correo-e	canchaya@uvigo.es			
Web	http://darwin.uvigo.es/canchaya			
Descrición xeral	O presente curso ten como obxectivo proporcionar ao alumno os coñecementos e ferramentas bioinformáticas para a análise e interpretación de datos xenómicos. As aplicacións destas análises bioinformáticas abarcarán aspectos evolutivos e funcionais dos xenomas estudados.			

Competencias de titulación	
Código	
A12	Realizar análise estándar de genomas y evolución molecular y/o diseñar y programar sus propios análisis adaptados a sus necesidades
A17	Aprender a diseñar, analizar y exponer un trabajo de investigación
A18	Efectuar un Trabajo de investigación en biología molecular

Competencias de materia		
Resultados previstos na materia	Tipoloxía	Resultados de Formación e Aprendizaxe
Comprensión dos pasos e técnicas necesarias para a implementación de proxectos xenoma	saber	A12 A17
Capacidade para manexar ferramentas bioinformáticas para a análise xenómica	saber saber facer	A12 A18
Coñecemento das técnicas modernas utilizadas na análise de datos xenómicos	saber	A12

Contidos	
Tema	
Introdución á xenómica	Proxectos de xenómica, técnicas de secuenciación tradicionais e de última xeración.
Ferramentas Informáticas para a análise de datos enómicos	Procuras en Bases de Datos, BLAST, Anotación e predicción funcional de xenos.
Análise de Xenomas e Datos Xenómicos	Xenómica estrutural, comparativa e funcional, transcriptómica e metagenómica

Planificación			
	Horas na aula	Horas fóra da aula	Horas totais
Sesión maxistral	15	22.5	37.5
Prácticas en aulas de informática	8	8	16
Traballos tutelados	1	10.5	11.5
Presentacións/exposicións	1	6	7
Probas de resposta curta	1	2	3

*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientador, considerando a heteroxeneidade do alumnado.

Metodoloxía docente	
	Descrición
Sesión maxistral	O profesor exporá conceptos básicos, exemplos, aplicacións, e describirá as técnicas máis utilizadas na análise computacional de xenomas.

Prácticas en aulas de informática	Os alumnos realizarán actividades que lle permitan aplicar os coñecementos adquiridos en clases a situacións reais da materia obxecto de estudo.
Traballos tutelados	Os estudantes elaborarán un documento sobre a temática da materia, ou preparará seminarios, investigacións, memorias, ensaios, resumos de lecturas, conferencias, etc. Esta actividade autónoma poderase realizar de maneira individual ou en grupo.
Presentacións/exposicións	Os estudantes exporán de maneira clara e breve un tema correspondente aos contidos da materia.

Atención personalizada

Metodoloxías	Descrición
Sesión maxistral	O alumno poderá comunicarse co profesor en todo momento no seu despacho, por email, teléfono, foro, etc.
Prácticas en aulas de informática	O alumno poderá comunicarse co profesor en todo momento no seu despacho, por email, teléfono, foro, etc.
Presentacións/exposicións	O alumno poderá comunicarse co profesor en todo momento no seu despacho, por email, teléfono, foro, etc.
Traballos tutelados	O alumno poderá comunicarse co profesor en todo momento no seu despacho, por email, teléfono, foro, etc.
Probas	Descrición
Probas de resposta curta	O alumno poderá comunicarse co profesor en todo momento no seu despacho, por email, teléfono, foro, etc.

Avaliación

	Descrición	Cualificación
Sesión maxistral	Valorarase a asistencia a clases	20
Prácticas en aulas de informática	Valorarase a participación e asistencia ás sesións prácticas	25
Traballos tutelados	Valorarase a calidade do contido e presentación e desenvolvemento do tema elixido	15
Presentacións/exposicións	Valorarase a claridade, capacidade de síntese e presentación do traballo realizado	20
Probas de resposta curta	Valorarase a capacidade de comprensión do alumno mediante a resolución de preguntas curtas sobre a materia *impartida	20

Outros comentarios sobre a Avaliación

Bibliografía. Fontes de información

Gibson, G. A., **Primer of Genome Science**, Tercera,
Mount D., **Bioinformatics: Sequence and Genome Analysis**, Segunda,
Zvelebil M., Braum, J., **Understanding Bioinformatics**, Primeira,

Recomendacións

Materias que se recomenda cursar simultaneamente

Análise Filoxenética/V02M105V01114
Introdución á Simulación de Procesos Xenéticos Mediante Ordenador/V02M105V01103
Metodoloxía para a análise da Evolución Molecular Usando o Paquete de Software HYPHY e a súa Linguaxe de Programación/V02M105V01116

DATOS IDENTIFICATIVOS**Manexo de Poboacións en Programas de Conservación Mediante o Uso de Marcadores Moleculares**

Materia	Manexo de Poboacións en Programas de Conservación Mediante o Uso de Marcadores Moleculares			
Código	V02M105V01121			
Titulación	Máster Universitario en Metodoloxía e Aplicacións en Bioloxía Molecular			
Descritores	Creditos ECTS	Sinale	Curso	Cuadrimestre
	4	OP	1	1c
Lingua de impartición	Castelán			
Departamento	Bioquímica, xenética e inmunoloxía			
Coordinador/a	Rodríguez Ramilo, Silvia Teresa			
Profesorado	Rodríguez Ramilo, Silvia Teresa			
Correo-e	silviat@uvigo.es			
Web	http://cvida.uvigo.es/			
Descrición xeral	Este curso proporciona los conocimientos necesarios para poder llevar a cabo un análisis de genealogías para la gestión de la variabilidad genética de poblaciones mantenidas en conservación. Además, facilita la comprensión de las metodologías disponibles para evaluar la diversidad genética a partir de la información que proporcionan los marcadores moleculares.			

Competencias de titulación

Código	
A11	Emplear marcadores moleculares para el estudio de la variabilidad genética de las poblaciones y en la gestión de programas de conservación

Competencias de materia

Resultados previstos na materia	Tipoloxía	Resultados de Formación e Aprendizaxe
1. Conocimientos necesarios para poder llevar a cabo un análisis de genealogías para la gestión de la variabilidad genética de poblaciones mantenidas en conservación.	saber saber facer	A11
2. Comprensión de las metodologías disponibles para evaluar la diversidad genética a partir de la información que proporcionan los marcadores moleculares.		

Contidos

Tema	
1- Evaluación de la consanguinidad, el parentescoDiferencias entre el parentesco genealógico y parentesco molecular. genealógico y la variabilidad genética en programas de conservación.	
2. Utilización de los marcadores moleculares en programas de conservación.	Evaluación de la diversidad genética en poblaciones. Identificación de poblaciones con características diferenciales. Análisis de subestructura genética poblacional. Identificación de individuos o poblaciones cruzados.
3. Relación entre la información genealógica y molecular: métodos para inferir parentesco.	Metodologías para inferir parentesco a partir de parejas de individuos y a partir de la reconstrucción de genealogías.

Planificación

	Horas na aula	Horas fóra da aula	Horas totais
Prácticas autónomas a través de TIC	25	35	60
Sesión maxistral	20	20	40

*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientador, considerando a heteroxeneidade do alumnado.

Metodoloxía docente

Descrición

Prácticas autónomas a través de TIC	En la primera parte del curso, se interpretarán los resultados obtenidos a partir del análisis de genealogías. En la segunda parte del curso los alumnos se familiarizarán con las técnicas de análisis de la información molecular. Finalmente, en la última parte del curso se evaluarán los distintos estimadores disponibles para inferir el parentesco genealógico empleando información molecular y las implicaciones que tiene en los programas de conservación.
Sesión maxistral	Sesiones teóricas donde se facilitan los conocimientos necesarios para aprender la competencia prevista.

Atención personalizada

Metodologías	Descripción
Prácticas autónomas a través de TIC	El profesor supervisará, de forma continua, el uso de los programas informáticos por parte de los alumnos durante el curso. Los alumnos dispondrán de atención individualizada para resolver dudas teóricas, sobre los problemas que tienen que resolver o sobre la tarea práctica que tienen que realizar.

Avaliación

	Descripción	Cualificación
Prácticas autónomas a través de TIC	Al final del curso, los alumnos deberán de ser capaces de justificar la resolución a un caso práctico utilizando una o varias metodologías vistas. También se realizará una prueba escrita para valorar los conocimientos adquiridos por los alumnos.	0 - 10

Outros comentarios sobre a Avaliación

Bibliografía. Fontes de información

Frankham, R., Ballou, J.D., Briscoe, D.A., **Introduction to conservation genetics.**, Cambridge University Press, Cambridge. UK.,
 Smith, T.B., Wayne, R.K., **Molecular Genetic Approaches in Conservation.**, Oxford University Press, Oxford. UK.,

Recomendacións

DATOS IDENTIFICATIVOS				
Proteómica Poboacional e Evolutiva				
Materia	Proteómica Poboacional e Evolutiva			
Código	V02M105V01122			
Titulación	Máster Universitario en Metodoloxía e Aplicacións en Biología Molecular			
Descritores	Creditos ECTS	Sinale	Curso	Cuadrimestre
	3	OP	1	1c
Lingua de impartición	Castelán Inglés			
Departamento	Bioquímica, xenética e inmunoloxía			
Coordinador/a	Pérez Diz, Ángel Eduardo			
Profesorado	Pérez Diz, Ángel Eduardo			
Correo-e	angel.p.diz@uvigo.es			
Web	http://http://cvida.uvigo.es/			
Descrición xeral	Esta materia proporcionará ao alumno a posibilidade de coñecer os procesos moleculares responsables da formación do fenotipo (sobre o que actúa en primeira instancia a selección natural), os motivos que explican a necesidade de abordar estudos a nivel do proteoma, e finalmente as hipóteses de carácter poboacional e evolutivo que poden ser abordadas a este nivel de expresión xénica. Farase un especial fincapé na necesidade de realizar un correcto deseño experimental así como unha análise de datos robusto. Finalmente proporcionaranse exemplos con aplicacións potenciais da proteómica.			

Competencias de titulación

Código	
A9	Aplicar las técnicas de análisis proteómico en estudios poblacionales y evolutivos
A13	Tratar estadísticamente datos experimentales en Biología molecular
A17	Aprender a diseñar, analizar y exponer un trabajo de investigación
A18	Efectuar un Trabajo de investigación en biología molecular

Competencias de materia

Resultados previstos na materia	Tipoloxía	Resultados de Formación e Aprendizaxe
Coñecemento dos principais mecanismos de regulación xénica, necesidade da integración de distintos estudos -ómicos para coñecer mellor a relación entre o xenotipo e o fenotipo.	saber	A9
Elaboración e optimización de deseños experimentados en estudos de Proteómica, facendo especial fincapé en estudos de tipo poboacional e evolutivo.	saber saber facer	A9 A17 A18
Manexo de software e análise de datos proporcionados por estudos de proteómica cuantitativa nos que se utiliza a técnica de electroforesis bidimensional (2-DE).	saber facer	A9 A13
Exploración e extracción de información das bases de datos de proteínas e a súa análise.	saber saber facer	A9 A13

Contidos

Tema	
1. Distintos niveis da ciencia -ómica e a súa complementariedade.	Xenómica, transcriptómica e proteómica: alicerces básicos da ciencia -ómica actual...e futura. Diferenzas, particularidades e integración dos distintos niveis -ómicos. Regulación xénica.
2. Proteómica cuantitativa (ou de expresión diferencial), deseño experimental e análise de datos.	Pros e contras da metodoloxía proteómica dispoñible para abordar este tipo de estudos. Obxectivos. Elaboración e discusión do deseño experimental: consideracións previas e diferentes alternativas. Análisis de datos obtidos mediante electroforesis bidimensional (2-DE). Bases de datos de proteínas.
3. Exemplos de estudos de proteómica aplicada a resolución de preguntas de tipo poboacional e evolutivo.	Exposición e discusión de casos prácticos en organismos mariños; Detección de variación xenética subxacente a nivel de expresión proteica dentro/entre poboacións ou especies. Heredabilidade. Evolución dos patróns de expresión proteica en casos de hibridación/especiación/adaptación. Patróns de expresión proteica en células gaméticas de organismos mariños.

Planificación			
	Horas na aula	Horas fóra da aula	Horas totais
Sesión maxistral	10	15	25
Prácticas en aulas de informática	15	15	30
Presentacións/exposicións	1	5	6
Traballos tutelados	1	10	11
Probas de resposta curta	1	2	3
*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientador, considerando a heteroxeneidade do alumnado.			

Metodoloxía docente	
	Descrición
Sesión maxistral	Exposición por parte do profesor dos contidos sobre a materia obxecto de estudo, bases teóricas e/ou directrices dun traballo, exercicio ou proxecto a desenvolver polo estudante.
Prácticas en aulas de informática	Actividades de aplicación dos coñecementos a situacións concretas, e de adquisición de habilidades básicas e procedimentais relacionadas coa materia obxecto de estudo, desenvolvidas en aulas de informática.
Presentacións/exposicións	Exposición por parte do alumnado ante o docente e/ou un grupo de estudantes dun tema sobre contidos da materia ou dos resultados dun traballo, exercicio, proxecto... Pódese levar a cabo de maneira individual ou en grupo.
Traballos tutelados	O estudante, de maneira individual ou en grupo, elabora un documento sobre a temática da materia ou prepara seminarios, investigacións, memorias, ensaios, resumos de lecturas, conferencias, etc. Xeralmente trátase dunha actividade autónoma do/s estudante/s que inclúe a procura e recollida de información, lectura e manexo de bibliografía, redacción...

Atención personalizada	
Metodoloxías	Descrición
Sesión maxistral	Os alumnos terán en todo momento un seguimento das súas actividades por parte do profesor así como axuda a través do correo electrónico, foro en plataforma TEMA ou calquera outro mecanismo concretado antes de iniciarse o curso entre profesor e alumnos. O profesor realizará unha sondaxe a nivel individual para detectar (aprox. a metade do curso) posibles puntos débiles co obxecto de aumentar/diminuír a esixencia se fose iso necesario.
Prácticas en aulas de informática	Os alumnos terán en todo momento un seguimento das súas actividades por parte do profesor así como axuda a través do correo electrónico, foro en plataforma TEMA ou calquera outro mecanismo concretado antes de iniciarse o curso entre profesor e alumnos. O profesor realizará unha sondaxe a nivel individual para detectar (aprox. a metade do curso) posibles puntos débiles co obxecto de aumentar/diminuír a esixencia se fose iso necesario.
Traballos tutelados	Os alumnos terán en todo momento un seguimento das súas actividades por parte do profesor así como axuda a través do correo electrónico, foro en plataforma TEMA ou calquera outro mecanismo concretado antes de iniciarse o curso entre profesor e alumnos. O profesor realizará unha sondaxe a nivel individual para detectar (aprox. a metade do curso) posibles puntos débiles co obxecto de aumentar/diminuír a esixencia se fose iso necesario.
Presentacións/exposicións	Os alumnos terán en todo momento un seguimento das súas actividades por parte do profesor así como axuda a través do correo electrónico, foro en plataforma TEMA ou calquera outro mecanismo concretado antes de iniciarse o curso entre profesor e alumnos. O profesor realizará unha sondaxe a nivel individual para detectar (aprox. a metade do curso) posibles puntos débiles co obxecto de aumentar/diminuír a esixencia se fose iso necesario.
Probas	Descrición
Probas de resposta curta	Os alumnos terán en todo momento un seguimento das súas actividades por parte do profesor así como axuda a través do correo electrónico, foro en plataforma TEMA ou calquera outro mecanismo concretado antes de iniciarse o curso entre profesor e alumnos. O profesor realizará unha sondaxe a nivel individual para detectar (aprox. a metade do curso) posibles puntos débiles co obxecto de aumentar/diminuír a esixencia se fose iso necesario.

Avaliación		
	Descrición	Cualificación
Sesión maxistral	se valorara ... a atención e a asistencia as clases.	20
Prácticas en aulas de informática	se valorara ... a atención, a participación e a asistencia as sesións prácticas.	30

Presentacións/exposicións	se valorara ...a calidade e sobre todo a claridad na exposición do traballo tutelado.	15
Traballos tutelados	se valorara ...a calidade do contido, a capacidade de síntese e a correcta presentación/organización do traballo realizado.	20
Probas de resposta curta	se valorara ...a capacidade de comprensión do alumno mediante a resolución de preguntas cortas/tipo test sobre a materia impartida nesta asignatura.	15

Outros comentarios sobre a Avaliación

Bibliografía. Fontes de información

Nawin Mishra, **Introduction to proteomics: principles and applications**, 1ª,

Richard M.Twyman, **Principles of proteomics**, 1ª,

Mark Pagel, Andrew Pomiankowski, **Evolutionary genomics and proteomics**, 1ª,

Recomendacións

Materias que se recomenda cursar simultaneamente

Proteómica/V02M105V01101

DATOS IDENTIFICATIVOS				
Introdución ás Liñas de Investigación				
Materia	Introdución ás Liñas de Investigación			
Código	V02M105V01201			
Titulación	Máster Universitario en Metodoloxía e Aplicacións en Bioloxía Molecular			
Descritores	Creditos ECTS	Sinale	Curso	Cuadrimestre
	3	OB	1	2c
Lingua de impartición	Castelán			
Departamento	Bioquímica, xenética e inmunoloxía			
Coordinador/a	Gonzalez Fernandez, Maria Africa			
Profesorado	Carvajal Rodríguez, Antonio Gonzalez Fernandez, Maria Africa Paez de la Cadena Tortosa, Maria Posada Gonzalez, David Presa Martinez, Pablo Sanjuan Lopez, Andres			
Correo-e	africa@uvigo.es			
Web	http://http://cvida.uvigo.es/			
Descrición xeral	Presentación por parte del profesorado de las líneas de investigación en una jornada científica. Los alumnos, supervisados por un tutor que les orienta en el trabajo fin de máster, prepararán y presentarán el tipo de trabajo que van a realizar.			

Competencias de titulación

Código	
A17	Aprender a diseñar, analizar y exponer un trabajo de investigación

Competencias de materia

Resultados previstos na materia	Tipoloxía	Resultados de Formación e Aprendizaxe
Que los alumnos conozcan las líneas de investigación de los profesores del Máster.	saber	A17
Que los tutores centren el trabajo fin de máster, asesorando a los alumnos.	saber facer	
Que los alumnos organicen y planifiquen qué tipo de trabajo fin de máster van a realizar.		
Que los alumnos con ayuda de sus profesores puedan aprender a diseñar, analizar y exponer un trabajo de investigación	saber saber facer Saber estar / ser	A17

Contidos

Tema	
Exposición de cada uno de los profesores del máster	Genética Inmunología Bioquímica Fisiología vegetal
Reuniones de los alumnos con sus tutores	Estudio de Bibliografía
Presentación al tutor y al resto de profesores y alumnos del máster el tipo de trabajo fin de Máster a realizar.	Exposición pública

Planificación

	Horas na aula	Horas fóra da aula	Horas totais
Traballos tutelados	50	10	60
Presentacións/exposicións	5	5	10
Sesión maxistral	5	0	5

*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientador, considerando a heteroxeneidade do alumnado.

Metodoloxía docente	
	Descrición
Traballos tutelados	Los alumnos realizarán un estudio bibliográfico para delimitar el tipo de trabajo fin de máster que realizarán.
Presentacións/exposicións	Los estudiantes presentarán al resto de alumnos y profesores el trabajo que quieren realizar como Fin de Máster. Expondrán una introducción, metodoloxía y objetivos, así como la bibliografía consultada
Sesión maxistral	Distintos profesores del máster impartirán en una jornada un resumen de las líneas de investigación del máster dentro de las áreas de Genética, Inmunología, Fisiología Vegetal y Bioquímica y Biología Molecular

Atención personalizada	
Metodoloxías	Descrición
Traballos tutelados	Los alumnos seleccionarán de entre los profesores del Máster, el profesor(a) que le dirigirá el trabajo Fin de Máster. Los alumnos y los tutores trabajarán de forma conjunta para desarrollar la idea del trabajo fin de Máster, evaluando bibliografía, protocolos, experimentos a realizar en el mismo.
Presentacións/exposicións	Los alumnos seleccionarán de entre los profesores del Máster, el profesor(a) que le dirigirá el trabajo Fin de Máster. Los alumnos y los tutores trabajarán de forma conjunta para desarrollar la idea del trabajo fin de Máster, evaluando bibliografía, protocolos, experimentos a realizar en el mismo.
Sesión maxistral	Los alumnos seleccionarán de entre los profesores del Máster, el profesor(a) que le dirigirá el trabajo Fin de Máster. Los alumnos y los tutores trabajarán de forma conjunta para desarrollar la idea del trabajo fin de Máster, evaluando bibliografía, protocolos, experimentos a realizar en el mismo.

Avaliación		
	Descrición	Cualificación
Traballos tutelados	Los alumnos realizarán un estudio bibliográfico exhaustivo apoyados por el tutor y definirán el tipo de trabajo Fin de máster que van a realizar.	60
Presentacións/exposicións	Los alumnos expondrán ante el resto de alumnos y profesores qué tipo de trabajo Fin de Máster quieren realizar, sobre qué se basan, porqué lo van a realizar en ese campo concreto, y el tutor que les supervisará.	40

Outros comentarios sobre a Avaliación

Bibliografía. Fontes de información

Cada tutor impartirá bibliografía a sus alumnos relativa al trabajo que el alumno tendrá que revisar, discutir y como apoyo para decidir la línea de su trabajo Fin de Máster.

Recomendacións
Materias que continúan o temario
Traballo Fin de Máster/V02M105V01204

DATOS IDENTIFICATIVOS				
O Método Científico en Bioloxía				
Materia	O Método Científico en Bioloxía			
Código	V02M105V01202			
Titulación	Máster Universitario en Metodoloxía e Aplicacións en Bioloxía Molecular			
Descritores	Creditos ECTS	Sinale	Curso	Cuadrimestre
	3	OB	1	2c
Lingua de impartición	Castelán			
Departamento	Bioquímica, xenética e inmunoloxía			
Coordinador/a	Pérez Rodríguez, Montserrat			
Profesorado	Pérez Rodríguez, Montserrat			
Correo-e	mon@uvigo.es			
Web				
Descrición xeral	(*)El alumno aprenderá los fundamentos del método científico y sus etapas. Aprenderá a formular hipótesis y a diseñar experimentos para avalar sus hipótesis.			

Competencias de titulación	
Código	
A17	Aprender a diseñar, analizar y exponer un trabajo de investigación

Competencias de materia		
Resultados previstos na materia	Tipoloxía	Resultados de Formación e Aprendizaxe
(*)1. Comprensión da importancia da utilización do método científico.2. Coñecemento das etapas do método científico.3. Capacidade para elaborar hipótese e deseñar experimentos para contrastalas.	saber	A17
(*)2. Coñecemento das etapas do método científico.	saber	A17
(*)3. Capacidade para elaborar hipótese e deseñar experimentos para contrastalas.	saber facer	A17

Contidos	
Tema	
(*)1. Definición do Método Científico.	(*)Método *Analítico. Método Sintético. Método *Inductivo. Método *Deductivo.
(*)2. Etapas do Método Científico.	(*)A Elección do Tema. Formulación do Problema. *Delimitación do Problema. Xustificación do problema de Investigación. Obxectivos da Investigación. *Estructuración do Esquema de Investigación.
(*)3. Elaboración da Hipótese.	(*)Metodoloxía. *Cronograma. Elementos dun proxecto de investigación.
(*)4. Leis Científicas.	(*)Función da Lei Científica. Clases de Leis Científicas.

Planificación			
	Horas na aula	Horas fóra da aula	Horas totais
Actividades introdutorias	0.5	0.5	1
Traballos de aula	8	16	24
Presentacións/exposicións	4	8	12
Debates	2.5	5	7.5
Sesión maxistral	8	16	24
Cartafol/dossier	1	4	5
Estudo de casos/análise de situacións	0.5	0.5	1
Probas de resposta curta	0.25	0.25	0.5

*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientador, considerando a heteroxeneidade do alumnado.

Metodoloxía docente	
Descrición	
Actividades introdutorias	Actividades de presentación del alumnado del profesor y de la asignatura

Traballos de aula	Análise de traballos. Identificación do método en traballos publicados. Elaboración de hipótese e deseño de experimentos para contrastalas.
Presentacións/exposicións	Presentación da análise do estudo de casos (traballos publicados)
Debates	Charla aberta entre grupos de estudantes centrada na análise de casos e no resultado dos seus traballos.
Sesión maxistral	Exposición por parte do profesor sobre os temas do curso e directrices das actividades a desenvolver polos estudantes.

Atención personalizada

Probas	Descrición
Cartafol/dossier	Tutorías personalizadas. O profesor orienta e resolve dúbidas. O estudante suscita dúbidas, solicita asesoramento, expón dificultades e logros.
Estudo de casos/análise de situacións	Tutorías personalizadas. O profesor orienta e resolve dúbidas. O estudante suscita dúbidas, solicita asesoramento, expón dificultades e logros.
Probas de resposta curta	Tutorías personalizadas. O profesor orienta e resolve dúbidas. O estudante suscita dúbidas, solicita asesoramento, expón dificultades e logros.

Avaliación

	Descrición	Cualificación
Cartafol/dossier	(*)Avaliación por pares coa axuda de persoais consensuados co profesor. Avaliación do profesor.	80
Estudo de casos/análise de situacións	(*)Avaliación do profesor da integración dos coñecementos adquiridos no estudo de casos	10
Probas de resposta curta	(*)Proba con preguntas de resposta curta sobre conceptos básicos *impartidos durante o curso.	10

Outros comentarios sobre a Avaliación

Bibliografía. Fontes de información

OCHOA, Ana B., **Métodos**,
 BUNGE, Mario., **La ciencia. Su método y su filosofía**, Ediciones Nueva Imagen,
 Gutiérrez S. Raúl., **Introducción al Método científico**, editorial Esfinge, México,

Recomendacións

Materias que continúan o temario

Introducción ás Liñas de Investigación/V02M105V01201
 Trabajo Fin de Máster/V02M105V01204

DATOS IDENTIFICATIVOS				
Estadística Aplicada al Diseño y Análisis de Experimentos				
Materia	Estadística Aplicada al Diseño y Análisis de Experimentos			
Código	V02M105V01203			
Titulación	Máster Universitario en Metodología y Aplicaciones en Biología Molecular			
Descritores	Creditos ECTS	Sinale	Curso	Cuadrimestre
	3	OB	1	2c
Lingua de impartición	Castellano			
Departamento	Bioquímica, genética e inmunología			
Coordinador/a	Rolan Alvarez, Emilio			
Profesorado	Rolan Alvarez, Emilio			
Correo-e	rolan@uvigo.es			
Web	http://http://cvida.uvigo.es/			
Descripción xeral	Asignatura diseñada para recordar y ampliar las técnicas y análisis estadístico vistos en la carrera, pero aplicados ahora en un contexto experimental y de aplicación a la investigación en ciencias de la vida			

Competencias de titulación

Código	
A13	(*)Tratar estadísticamente datos experimentales en Biología molecular
A17	(*)Aprender a diseñar, analizar y exponer un trabajo de investigación

Competencias de materia

Resultados previstos na materia	Tipoloxía	Resultados de Formación e Aprendizaxe
(*)1. El alumno adquiera una formación y capacidad para entender y aplicar las principales técnicas estadísticas paramétricas y no paramétricas a cualquier problema/experimento que se le plantee en cualquier ámbito de las ciencias de la vida.	saber saber hacer	A13
2. El alumno debe ser capaz de abordar todas las fases del análisis estadístico, desde la preparación de datos al análisis mediante software especializado.		A13 A17
(*)		

Contenidos

Tema	
1. Introducción al análisis estadístico paramétrico y no paramétrico.	La ciencia de la estadística. Algunas definiciones. La estadística descriptiva. La probabilidad y sus reglas. La distribución de probabilidad y la inferencia estadística. El modelo estadístico general. La distribución normal y la estadística paramétrica. La inferencia paramétrica para poblaciones. Muestras y muestreos. Muestras estadísticas y estimadores. La distribución muestral. Aplicación del test t en muestras. Estimación y test de hipótesis con otros estadísticos. Otros test de hipótesis.
2. El método Monte Carlo y bootstrapping. El método Jack-Knife. El método de aleatorización.	Características de la estrategia paramétrica. Alternativas no paramétricas. Conversión a rangos y uso de estadística paramétrica. Los tests de rangos. El método Jack-Knife. El método Monte-Carlo. El método de aleatorización. El test de Mantel.
3. El ANOVA univariante y multivariante.	Evaluación de tests múltiples y su tratamiento estadístico. La estrategia del análisis de varianza. Los dos modelos de ANOVA. La estimación de los componentes de la varianza. La demostración del modelo I de ANOVA. La estimación de los efectos (los test a posteriori). Las asunciones del ANOVA. Transformaciones de los datos. El ANOVA de aleatorización. El ANOVA multifactorial. El ANOVA de dos factores fijos. El ANOVA de dos factores: aleatorios y mixto. El ANOVA de dos factores encajado. El ANOVA de más de dos factores.

4. La relación entre variables y su predicción. La regresión múltiple.	Las medidas de parecido/asociación. El test estadístico del coeficiente de correlación. Las asunciones del modelo de correlación. Los test de asociación no paramétricos. La ecuación lineal de regresión. El test estadístico (ANOVA) asociado al análisis de regresión. El uso práctico de los residuos de regresión. La regresión lineal multivariable. La regresión cuadrática. Las asunciones del modelo de regresión.
5. El análisis de frecuencias.	Los datos de frecuencias. Los test de bondad de ajuste. Los test de homogeneidad y heterogeneidad. Los test de asociación/contingencia. Los tests con replicación (bondad de ajuste; contingencia). La regresión logística.
6. Introducción al diseño experimental.	El problema del diseño. El procedimiento experimental ideal. El cálculo de N. El diseño con ANOVAs: consideración de factores, nº de tratamientos y réplicas.

Planificación

	Horas na aula	Horas fóra da aula	Horas totais
Otros	9	9	18
Trabajos tutelados	0	10	10
Sesión magistral	17	25.993	42.993
Pruebas prácticas, de ejecución de tareas reales y/o simuladas.	1	3	4

*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientador, considerando a heteroxeneidade do alumnado.

Metodoloxías

	Descrición
Otros	sesiones de Ordenador para realizar programación de análisis en EXCEL o con el SPSS/PC
Trabajos tutelados	El alumno deberá entregar un informe, donde se presente un análisis completo (utilizando alguna de las herramientas vistas en el curso) sobre un conjunto de datos propios o presentados por el profesor. El alumno entregará una serie de problemas resueltos, sobre los diferentes contenidos y técnicas impartidas en el curso.
Sesión magistral	Sesiones teóricas donde se plantean los conocimientos necesarios para aprender las competencias propias y transversales previstas

Atención personalizada

Probos	Descrición
Pruebas prácticas, de ejecución de tareas reales y/o simuladas.	Los alumnos podrán disponer de atención individualizada para resolver dudas teóricas, sobre los problemas que tienen que resolver o sobre la tarea práctica que se les ha encomendado.

Evaluación

	Descrición	Cualificación
Trabajos tutelados	Se presentará un informe al final de curso, en WORD, o PDF, sobre un análisis detallado de un conjunto de datos, utilizando alguna o varias de las técnicas vistas en el curso	0-50
Pruebas prácticas, de ejecución de tareas reales y/o relacionadas con una prueba escrita. simuladas.	Al terminar cada Tema los alumnos tendrán que resolver algunos problemas	0-50

Outros comentarios sobre a Avaliación

Fuentes de información

Sokal & Rohlf, **Biometry**, 1995,
Daniel, **Bioestadística. base para el análisis de las ciencias de la salud**, 1989,
Manly, **Multivariate Statistical Methods. A primer**, 1986,
Noreen, **Computer intensive methods for testing hypothesis. An introduction.**, 1989,
Carvajal-Rodríguez, de Uña & Rolán-Alvarez, **A new multitest correction (SGoF) that increases its statistical power when increasing the number of tests**, 2009,

Recomendaciones

DATOS IDENTIFICATIVOS				
Traballo Fin de Máster				
Materia	Traballo Fin de Máster			
Código	V02M105V01204			
Titulación	Máster Universitario en Metodoloxía e Aplicacións en Bioloxía Molecular			
Descritores	Creditos ECTS	Sinale	Curso	Cuadrimestre
	21	OB	1	2c
Lingua de impartición	Castelán			
Departamento	Bioquímica, xenética e inmunoloxía			
Coordinador/a	Caballero Rúa, Armando			
Profesorado	Caballero Rúa, Armando			
Correo-e	armando@uvigo.es			
Web	http://http://cvida.uvigo.es/			
Descrición xeral	Trabajo de investigación original en alguna de las líneas de investigación desarrolladas por los profesores doctores del programa de Máster. El trabajo estará tutelado por un profesor doctor del programa. El alumno desarrollará un trabajo de investigación supervisado, aprenderá a manejar equipamiento avanzado, bibliografía especializada, y a adiestrarse en el diseño de experimentos científicos y en las metodologías y técnicas aprendidas en los cursos del programa.			

Competencias de titulación

Código	
A18	Efectuar un Trabajo de investigación en biología molecular

Competencias de materia

Resultados previstos na materia	Tipoloxía	Resultados de Formación e Aprendizaxe
1. Diseñar un experimento científico para responder a una pregunta concreta.	saber	A18
2. Formación en metodologías y técnicas en investigación biológica.	saber facer	
3. Planteamiento de nuevas hipótesis y capacidad de interpretación de resultados.	Saber estar / ser	
4. Buscar y utilizar fuentes bibliográficas.		
5. Capacidad de síntesis y habilidades en la comunicación y discusión crítica de ideas.		
6. Capacidad de elaborar y escribir un proyecto científico.		
7. Capacidad de escribir un trabajo o un informe científico.		

Contidos

Tema	
El alumnado desarrollará un trabajo de investigación supervisado, aprenderá a manejar equipamiento avanzado, bibliografía especializada, y a adiestrarse en el diseño de experimentos científicos y en las metodologías y técnicas aprendidas en los cursos del programa.	

Planificación

	Horas na aula	Horas fóra da aula	Horas totais
Seminarios	17	68	85
Estudos/actividades previos	20	20	40
Proxectos	200	200	400

*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientador, considerando a heteroxeneidade do alumnado.

Metodoloxía docente

	Descrición
Seminarios	Exposición en Seminarios de trabajos publicados. Exposición en Seminarios del planteamiento conceptual y experimental del proyecto de los alumnos. Exposición en Seminarios de los resultados obtenidos en su trabajo.

Estudios/actividades previos	Búsqueda bibliográfica para fundamentación y discusión del trabajo. Formación bibliográfica: estudio del estado del arte en el tema del proyecto.
Proyectos	Trabajo experimental dirigido por un tutor del Programa.

Atención personalizada

Metodologías	Descripción
Proyectos	El trabajo estará tutelado por un profesor doctor del programa del máster.
Estudios/actividades previos	El trabajo estará tutelado por un profesor doctor del programa del máster.
Seminarios	El trabajo estará tutelado por un profesor doctor del programa del máster.

Avaliación

Descripción	Cualificación
ProyectosEl trabajo Fin de Máster deberá ser presentado por el estudiante ante un Tribunal nombrado por la Comisión Coordinadora del Máster. El estudiante presentará una memoria escrita del trabajo de investigación realizado, y lo defenderá en exposición oral frente a este tribunal, que otorgará la calificación.	0-10

Otros comentarios sobre a Avaliación

Bibliografía. Fontes de información

Cada profesor tutorador de los Trabajos de Fin de Máster propondrá la bibliografía adecuada a cada alumno.

Recomendacións

Otros comentarios

Para poder cursar la materia de Trabajo de Fin de Máster, el alumno deberá haber cursado 30 créditos ECTS en materias optativas del primer cuatrimestre y 9 créditos de materias obligatorias del segundo cuatrimestre.