



DATOS IDENTIFICATIVOS

Metodoloxías Estatísticas e Matemáticas en Bioinformática

Materia	Metodoloxías Estatísticas e Matemáticas en Bioinformática			
Código	V02M123V01112			
Titulación	Máster Universitario en Ciencias Biolóxicas: Biología Molecular, Computacional e Ambiental e Bio- Industrias			
Descritores	Creditos ECTS	Sinale	Curso	Cuadrimestre
	6	OP	1	1c
Lingua de impartición				
Departamento				
Coordinador/a				
Profesorado				
Correo-e				
Web	http://webs.uvigo.es/biologicalsciences/			
Descrición xeral				

Competencias

Código	
C3	(*) Capacidad para manejar y/o desarrollar herramientas básicas para la validación y el análisis de datos mediante la estadística y la bioinformática
C5	(*) Capacidad para diseñar, evaluar y aplicar modelos de estructuras, sistemas y procesos biológicos
C6	(*) Conocer las técnicas de muestreo y saber aplicar metodologías y técnicas instrumentales, tanto de campo como de laboratorio, de aplicación en las Ciencias Biológicas

Resultados de aprendizaxe

Resultados previstos na materia	Resultados de Formación e Aprendizaxe
(*)	C3 C5 C6

Contidos

Tema

Planificación

	Horas na aula	Horas fóra da aula	Horas totais
Prácticas en aulas de informática	10	98	108
Sesión maxistral	20	20	40
Probas de resposta curta	2	0	2

*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientador, considerando a heteroxeneidade do alumnado.

Metodoloxía docente	
	Descrición
Prácticas en aulas de informática	
Sesión maxistral	

Atención personalizada	
Metodoloxías	Descrición
Prácticas en aulas de informática	

Avaliación		
	Descrición	Cualificación
Prácticas en aulas de informática		40
Sesión maxistral		10
Probas de resposta curta		50

Outros comentarios sobre a Avaliación

Bibliografía. Fontes de información

James M. Lattin, J. Douglas Carroll, Paul E. Green, **Analyzing multivariate data**, 2003,
Paul S.P. Cowpertwait and Andrew V. Metcalfe, **Introductory time series with R**,
David J.C. MacKay, **Information Theory, Inference, and Learning Algorithms**,
Rob J. de Boer, <http://www-binf.bio.uu.nl/rdb/books.html>,
<http://www.r-project.org/>, **The R project for Statistical Computing**,

Recomendacións	
Materias que continúan o temario	
Bioloxía de Sistemas/V02M123V01212	
Bioloxía Estrutural/V02M123V01211	
Evolución Molecular/V02M123V01210	
Extracción de Coñecemento/V02M123V01113	
Xenómica Computacional/V02M123V01209	

Materias que se recomenda ter cursado previamente	
Programación en Bioinformática/V02M123V01111	