



DATOS IDENTIFICATIVOS

Manexo de Poboacións en Programas de Conservación Mediante o Uso de Marcadores Moleculares

Materia	Manexo de Poboacións en Programas de Conservación Mediante o Uso de Marcadores Moleculares			
Código	V02M105V01121			
Titulación	Máster Universitario en Metodoloxía e Aplicacións en Bioloxía Molecular			
Descritores	Creditos ECTS	Sinale	Curso	Cuadrimestre
	4	OP	1	1c
Lingua de impartición	Castelán			
Departamento	Bioquímica, xenética e inmunoloxía			
Coordinador/a	Rodríguez Ramilo, Silvia Teresa			
Profesorado	Rodríguez Ramilo, Silvia Teresa			
Correo-e	silviat@uvigo.es			
Web	http://cvida.uvigo.es/			
Descrición xeral	Este curso proporciona los conocimientos necesarios para poder llevar a cabo un análisis de genealogías para la gestión de la variabilidad genética de poblaciones mantenidas en conservación. Además, facilita la comprensión de las metodologías disponibles para evaluar la diversidad genética a partir de la información que proporcionan los marcadores moleculares.			

Competencias de titulación

Código	A11
	Emplear marcadores moleculares para el estudio de la variabilidad genética de las poblaciones y en la gestión de programas de conservación

Competencias de materia

Resultados previstos na materia	Tipoloxía	Resultados de Formación e Aprendizaxe
1. Conocimientos necesarios para poder llevar a cabo un análisis de genealogías para la gestión de la variabilidad genética de poblaciones mantenidas en conservación.	saber facer	A11
2. Comprensión de las metodologías disponibles para evaluar la diversidad genética a partir de la información que proporcionan los marcadores moleculares.		

Contidos

Tema	
1- Evaluación de la consanguinidad, el parentesco genealógico y la variabilidad genética en programas de conservación.	Diferencias entre el parentesco genealógico y parentesco molecular.
2. Utilización de los marcadores moleculares en programas de conservación.	Evaluación de la diversidad genética en poblaciones. Identificación de poblaciones con características diferenciales. Análisis de subestructura genética poblacional. Identificación de individuos o poblaciones cruzados.
3. Relación entre la información genealógica y molecular: métodos para inferir parentesco.	Metodologías para inferir parentesco a partir de parejas de individuos y a partir de la reconstrucción de genealogías.

Planificación

	Horas na aula	Horas fóra da aula	Horas totais
Prácticas autónomas a través de TIC	25	35	60
Sesión maxistral	20	20	40

*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientador, considerando a heteroxeneidade do alumnado.

Metodoloxía docente

	Descrición
Prácticas autónomas a través de TIC	En la primera parte del curso, se interpretarán los resultados obtenidos a partir del análisis de genealogías. En la segunda parte del curso los alumnos se familiarizarán con las técnicas de análisis de la información molecular. Finalmente, en la última parte del curso se evaluarán los distintos estimadores disponibles para inferir el parentesco genealógico empleando información molecular y las implicaciones que tiene en los programas de conservación.
Sesión maxistral	Sesiones teóricas donde se facilitan los conocimientos necesarios para aprender la competencia prevista.

Atención personalizada

Metodoloxías	Descrición
Prácticas autónomas a través de TIC	El profesor supervisará, de forma continua, el uso de los programas informáticos por parte de los alumnos durante el curso. Los alumnos dispondrán de atención individualizada para resolver dudas teóricas, sobre los problemas que tienen que resolver o sobre la tarea práctica que tienen que realizar.

Avaliación

	Descrición	Cualificación
Prácticas autónomas a través de TIC	Al final del curso, los alumnos deberán de ser capaces de justificar la resolución a un caso práctico utilizando una o varias metodologías vistas. También se realizará una prueba escrita para valorar los conocimientos adquiridos por los alumnos.	0 - 10

Outros comentarios sobre a Avaliación

Bibliografía. Fontes de información

Frankham, R., Ballou, J.D., Briscoe, D.A., **Introduction to conservation genetics.**, Cambridge University Press, Cambridge. UK.,

Smith, T.B., Wayne, R.K., **Molecular Genetic Approaches in Conservation.**, Oxford University Press, Oxford. UK.,

Recomendacións