



## DATOS IDENTIFICATIVOS

### Análise Filoxenética

Materia	Análise Filoxenética			
Código	V02M015V01323			
Titulación	Máster Universitario en Acuicultura-Itinerario Profesional			
Descritores	Creditos ECTS	Sinale	Curso	Cuadrimestre
	3	OP	2	2c
Lingua de impartición	Castelán			
Departamento	Bioquímica, xenética e inmunoloxía			
Coordinador/a	Posada Gonzalez, David			
Profesorado	Posada Gonzalez, David			
Correo-e	dposada@uvigo.es			
Web	<a href="http://webs.uvigo.es/c03/webc03/MasterMetodologiasAplicacionesCienciasVida/indexDef.html">http://webs.uvigo.es/c03/webc03/MasterMetodologiasAplicacionesCienciasVida/indexDef.html</a>			
Descrición xeral	Este curso proporcionará las bases para entender los términos y conceptos fundamentales de la reconstrucción filogenética.			

### Competencias de titulación

Código	
A3	Controlar el bienestar e implementar los procesos de reproducción, producción, mantenimiento y patología de especies clave y especies potenciales en acuicultura
A4	Diagnosticar, prevenir y controlar enfermedades
B3	Valorar la importancia de los análisis multidisciplinares
B4	Utilizar las terminologías científicas adecuadas
B5	Redactar y defender informes profesionales y publicaciones científicas
B6	Encontrar las fuentes de información, consultarlas y analizar y sintetizar documentos

### Competencias de materia

Resultados previstos na materia	Tipoloxía	Resultados de Formación e Aprendizaxe
Conocimiento de las ventajas y desventajas de los distintos métodos filogenéticos.	saber	A3 A4 B3 B4
Interpretación de árboles filogenéticos.	saber	A3 A4 B3 B4 B5 B6
Uso de árboles para el contraste de hipótesis biológicas.	saber hacer	A3 A4 B3 B4
Aprendizaje de herramientas bioinformáticas para el análisis filogenético.	saber hacer	A3 A4 B3 B4 B5 B6

### Contidos

Tema
------

Introducción a la filogenética	Árboles filogenéticos. Enraizamiento. Monofilia y polifilia. Caracteres y estados. Homología y homoplasia. Ortología y paralogía. Usos de las filogenias
Alineamiento de secuencias	Sustitución, inserción y deleción. Alineamiento múltiple. Formatos de alineamiento. Programas de alineamiento. Filtrado de alineamientos.
Modelos de evolución molecular	Saturación. Probabilidad de cambio. Modelos de sustitución nucleotídica. Test de las razones de verosimilitudes. Criterio de información de Akaike. Selección Bayesiana. Inferencia multimodelo.
Métodos filogenéticos	Caracteres vs. distancias. Algoritmos y optimalidad. Paisajes de árboles. Búsquedas exactas y aproximadas. Intercambios topológicos. Árboles consenso.
Máxima parsimonia	Criterio de parsimonia. Reconstrucción de estados ancestrales Índices de consistencia. Atracción de las ramas largas.
Métodos de distancias	Distancias filéticas. Aditividad y ultrametricidad. Criterio de Fitch-Margoliash. Mínima evolución. Métodos algorítmicos: UPGMA y NJ.
Máxima verosimilitud	Concepto de verosimilitud. Cálculo de la verosimilitud en árboles. Reconstrucción de estados ancestrales. Diferencias entre parsimonia y verosimilitud.
Inferencia Bayesiana	Probabilidades a priori y a posteriori. Teorema de Bayes. Inferencia marginal. Cadenas de Markov de Monte Carlo (MCMC). Muestreo y convergencia.
Contrastes filogenéticos	Error y confianza filogenética. Bootstrap no paramétrico. Comparación de topologías. Reloj molecular.

### Planificación

	Horas na aula	Horas fóra da aula	Horas totais
Sesión maxistral	12	18	30
Prácticas autónomas a través de TIC	5	25	30
Traballos de aula	3	6	9
Foros de discusión	4	0	4
Probas de resposta curta	0	2	2

\*Os datos que aparecen na táboa de planificación son de carácter orientador, considerando a heteroxeneidade do alumnado.

### Metodoloxía docente

	Descrición
Sesión maxistral	El profesor expondrá conceptos básicos, algoritmos, ejemplos, aplicaciones, etc
Prácticas autónomas a través de TIC	El alumno analizará secuencias de ADN usando diferentes programas y respondiendo a diversas cuestiones. Se darán instrucciones precisas y detalladas a partir de una página web con los enlaces necesarios.
Traballos de aula	Los alumnos explorarán la resolución en clase de las prácticas de ordenador
Foros de discusión	El alumno y el profesor intercambiarán comentarios en clase y a través del foro online de la asignatura

### Atención personalizada

Metodoloxías	Descrición
Foros de discusión	El alumno podrá comunicarse con el profesor en todo momento en su despacho, por email, teléfono, foro, etc
Sesión maxistral	El alumno podrá comunicarse con el profesor en todo momento en su despacho, por email, teléfono, foro, etc
Prácticas autónomas a través de TIC	El alumno podrá comunicarse con el profesor en todo momento en su despacho, por email, teléfono, foro, etc
Traballos de aula	El alumno podrá comunicarse con el profesor en todo momento en su despacho, por email, teléfono, foro, etc
Probas	Descrición
Probas de resposta curta	El alumno podrá comunicarse con el profesor en todo momento en su despacho, por email, teléfono, foro, etc

### Avaliación

	Descrición	Cualificación
Prácticas autónomas a través de TIC	Las prácticas se desarrollarán de forma no presencial a partir de la página web del curso, con ayuda del profesor. Se valorará la realización de los pasos requeridos, las soluciones y las contestaciones a las tareas y preguntas.	50

Foros de discusión	Se valorará la participación del alumno en clase y en el foro: preguntas, dudas, comentarios, etc	20
Probas de resposta curta	Se realizará un examen no presencial con cuestiones conceptuales o metodológicas	30

---

### **Outros comentarios sobre a Avaliación**

1. Valorarase a participación do alumno en clase, en tutorías, ou no foro da asignatura. Considérase positivo que o alumno non só suscite dúbidas ou cuestións, senón que faga comentarios ou discuta os conceptos ou actividades que se desenvolverán ao longo do curso. En definitiva, teranse en conta as achegas do alumno que demostren o seu interese pola materia e o seu estudo continuado ao longo do curso.
2. A aprendizaxe adquirida nas prácticas de laboratorio se evaluará ao longo do curso nas probas periódicas e nos exames. A asistencia ás prácticas ademais contabilizarase e valorará dentro do apartado de participación.
3. O exame contemplará preguntas conceptuais e resolución de problemas sobre calquera actividade da asignatura (clases magistrales, exercicios, prácticas de laboratorio). O exame durará 1 hora e será cualificado nunha escala de 0-10.

---

### **Bibliografía. Fontes de información**

Vandamme AM, Salemi M, Lemey P (eds). 2010. The Phylogenetic Handbook, 2nd Edition. Cambridge University Press. *Un libro muy práctico a un nivel muy asequible con ejemplos prácticos para trabajar. Muy recomendable.*

---

### **Recomendacións**

#### **Materias que continúan o temario**

Bioinformática Estructural en Proteínas/V02M015V01324

Desenvolvemento de Ferramentas de Diagnóstico e Análise Epidemiolóxica/V02M015V01321

---

#### **Materias que se recomenda ter cursado previamente**

Aplicacións Estatísticas ao Deseño Experimental e Análise de Datos/V02M015V01322

Xenética de Poboacións/V02M015V01314

Xenómica Estructural e Funcional/V02M015V01317

---

### **Outros comentarios**

La carga no presencial es importante y muy exigente. No se recomienda realizar varios cursos de manera simultánea.